

无栏目

### 玉米弯孢菌叶斑病抗性的QTL分析

黎裕,戴法超,景蕊莲,王天宇,杜金友,贾继增

中国农业科学院作物品种资源研究所

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 通过利用AFLP和SSR标记,对丹 340×沈 135的F2:3 群体 (113个家系)进行玉米弯孢菌叶斑病抗性基因的遗传作图和QTL分析,得到如下结论:(1)玉米弯孢菌叶斑病抗性是由多基因控制的;(2)应用复合区间作图法,对 1999年的玉米全株抗病性,检测到 4个QTL,分别位于第 6、6、8和 10染色体上,可解释表型变异的 49.9%;对 2000年的玉米全株抗病性,检测到 6个QTL,2个位于第 6染色体上,3个位于第 7染色体上,1个位于第 10染色体上,可解释表型变异的 77.6%;第 10染色体上的QTL是 2年间共同的QTL,来自抗病亲本沈 135;(3)对每个QTL(定量特征点位分析),均检测到加性和显性效应,但相对大小有不同,各QTL以部分显性、显性和超显性为主要遗传方式;(4)控制玉米弯孢菌叶斑病抗性的QTL之间存在上位性互作。

**关键词** [玉米](#) [弯孢菌叶斑病](#) [抗病性](#) [QTL](#) [分子标记](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页:黎裕;戴法超;景蕊莲;王天宇;杜金友;贾继增

#### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (290KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“玉米”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [黎裕](#)

· [戴法超](#)

· [景蕊莲](#)

· [王天宇](#)

· [杜金友](#)

· [贾继增](#)