

无栏目

大豆对SMV3号株系的抗性遗传分析及抗病基因的RAPD标记研究

郑翠明,常汝镇,邱丽娟

中国农业科学院作物品种资源研究所;农业部作物种质资源与生物技术重点开放实验室!北京100081

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用高抗东北 SMV3号株系的大豆品系 95 - 5 383与 4个感病品种 (系) HB1、铁丰 2 1、Am soy、William s和抗病品种 PI486 35 5配制 5个杂交组合,对各组合的 F1、F2 代接种 SMV鉴定抗性。结果表明,95 - 5 383与各感病品种杂交组合的 F1 代表现为感病,F2 群体分离比例为 3感(花叶+顶枯):1抗,表明 95 - 5 383对 SMV3号株系的抗性受一对隐性基因控制。95 - 5 383× PI486 35 5的 F2 代接种后有感病植株分离,表明二者对 SMV3的抗性基因不等位。利用BSA法对 95 - 5 383× HB1的 F2 代进行鉴定,筛选出 RAPD引物 OPN11在 95 - 5 383和抗池扩增出 OPN11980 片段,在HB1和感池扩增出 OPN111 0 70 片段,在 F1 同时扩增出 OPN11980 和 OPN111 0 70。用该引物分析 95 - 5 383× HB1的 F2 个体,共显性的 RAPD标记 OPN11980 /1 0 70 与 95 - 5 383抗病基因的遗传距离为 2 .1c M。

**关键词** [大豆](#) [大豆花叶病毒](#) [抗性遗传](#) [RAPD标记](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: 郑翠明;常汝镇;邱丽娟

#### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (270KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“大豆”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [郑翠明](#)

· [常汝镇](#)

· [邱丽娟](#)