

热带农业科学

橡胶树SAM-SSR体系的优化于飞^{1,2}, 冯素萍^{1,2}, 童和林^{1,2}, 武耀廷³

1. 中国热带农业科学院热带生物技术研究所

2.

3. 海南海口中国热带农业科学院热带生物技术研究所

收稿日期 2009-4-16 **修回日期** 2009-5-14 **网络版发布日期** 2009-7-5 **接受日期** 2009-6-24

摘要 以橡胶树品种热研88-13为试材,研究了橡胶树SAM-SSR法中各个过程(酶切、连接、抑制性和预扩增)中各因素对SAM法结果的影响。实验结果表明:5U Mse I 和5U Pst I 双酶切1h为最合适酶切浓度、方式和时间;100~300ng为适宜的DNA模板浓度;合适的连接温度和时间为16℃连接过夜;连接产物和抑制性PCR产物分别稀释20倍,为抑制性PCR和预扩增PCR的适宜模板浓度。SAM扩增产物用8%的非变性聚丙烯酰胺凝胶检测,结果显示,扩增条带分布在200~750bp之间,能够满足建立橡胶树SSR基因组文库的需要。

关键词 [橡胶树](#) [SAM-SSR](#) [优化](#)**分类号****DOI:****通讯作者:**于飞 mengyuan1997@163.com**作者个人主页:**于飞^{1;2};冯素萍^{1;2};童和林^{1;2};武耀廷³**扩展功能****本文信息**

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1753KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中包含“橡胶树”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [于飞](#)
- [冯素萍](#)
- [童和林](#)
- [武耀廷](#)