

毛竹 *Stowaway-like* MITEs转座子的分离与分析

钟浩¹ 周明兵¹ 白有煌² 汤定钦¹

1.浙江林学院 浙江省现代森林培育技术重点实验室 临安 311300; 2.浙江大学生命科学院生物信息系 杭州 310058

收稿日期 2009-8-31 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 微型颠倒重复序列(miniature inverted repeat transposable elements, MITEs)是一类对基因组进化和基因表达有重要调节作用的转座子。为分析MITEs在毛竹基因组中的分布特性,借鉴Fast Isolation by AFLP of Sequences Containing repeats (FIASCO)方法,首次构建*Stowaway-like* MITEs富集文库。随机挑取21个克隆,测序发现2个含有*Stowaway-like* MITEs序列 (*Stow-Ph1*和*Stow-Ph2*),阳性率为9.52%。*Stow-Ph1*和*Stow-Ph2*的长度分别为260和258 bp,具有*Stowaway-like* MITEs典型的末端颠倒重复序列(terminal inverted repeats, TIRs)和靶位点重复序列(target site duplication, TSD)。*Stow-Ph1*和*Stow-Ph2*与水稻的*Stow-Os8*(FJ266024)的同源性分别为46.4%和52.6%。*Stow-Ph1*和*Stow-Ph2*与水稻16类*Stowaway-like* MITEs的TIRs前20 bp的相似性均高于50%,表明毛竹的*Stowaway-like* MITEs在TIRs上是高度保守的。

关键词 [毛竹](#); [磁珠富集](#); [转座子](#); [TIRs](#); [Stowaway-like MITEs](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

汤定钦

作者个人主页: [钟浩](#)¹ [周明兵](#)¹ [白有煌](#)² [汤定钦](#)¹

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(1632KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“毛竹: 磁珠富集: 转座子: TIRs: Stowaway-like MITEs”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [钟浩](#) [周明兵](#) [白有煌](#) [汤定钦](#)