

## 枇杷属植物遗传多样性的ISSR分析

王永清<sup>1</sup> 付燕<sup>2</sup> 杨琴<sup>3</sup> 罗楠<sup>1</sup> 邓群仙<sup>1</sup> 严娟<sup>1</sup> 曾建国<sup>4</sup> 阮光伦<sup>5</sup>

1. 四川农业大学林学院园艺学院 雅安 625014; 2. 黔东南民族职业技术学院植物组培中心 凯里 556000; 3. 凯里学院环境与生命科学学院 凯里 556011; 4. 成都市龙泉驿区农村发展局 成都 610100; 5. 重庆市涪陵区果品办公室 重庆 408000

收稿日期 2008-12-30 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 采用ISSR技术对41份枇杷属植物材料进行分类和遗传多样性研究。从100条引物中筛选出20条引物共产生436条带,其中多态性带392条,占89.9%。平均有效等位基因数为1.3,平均Nei's基因多样性指数为0.208 5,平均Shannon信息指数为0.332 3,表明枇杷属植物中具有较丰富的遗传多样性。发现特异性条带33个,但并未发现春季开花或秋冬开花的特异标记,所用ISSR标记分析枇杷属植物的亲缘关系所得聚类结果表明,开花时期不能作为枇杷属植物的分类依据。相似系数0.722可将41份枇杷属植物分为野生类群和栽培类群,而栽培品种却不能按单一性状进行聚类。对枇杷属植物的分类方法进行讨论。

**关键词** [枇杷属](#); [ISSR](#); [分类](#); [遗传多样性](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: 王永清<sup>1</sup> 付燕<sup>2</sup> 杨琴<sup>3</sup> 罗楠<sup>1</sup> 邓群仙<sup>1</sup> 严娟<sup>1</sup> 曾建国<sup>4</sup> 阮光伦<sup>5</sup>

### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(4438KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“枇杷属: ISSR; 分类; 遗传多样性”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王永清](#) [付燕](#) [杨琴](#) [罗楠](#) [邓群仙](#) [严娟](#) [曾建国](#) [阮光伦](#)