

【作者】	王彦珍,张继华,马荣才,谢华,魏建华
【单位】	北京市农林科学院生物技术研究中心,北京
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	5
【发表页码】	1939 - 1941 ,1947
【关键字】	毛白杨;AFLP 分析;种质资源
【摘要】	<p>[目的] 为毛白杨种质资源的利用提供依据。[方法] 以130个毛白杨无性系为材料,取新鲜叶片,提取DNA,筛选多态性引物,进行AFLP扩增,分析所选材料的遗传多样性。[结果] 利用筛选出的9对多态性引物对130个毛白杨样品进行分析,扩增片段的长度在50~400 bp之间,检测到612条标记带,每对引物可扩增出55~80条标记带,其中多态性标记210个,平均多态性条带23.33条,多态性条带百分率为34.31%。聚类分析结果表明,毛白杨的同源性与地理来源无明显关系,来源相同的毛白杨无性系并没有完全聚在一起。聚类分析结果与材料的系谱关系一致。[结论] AFLP标记技术能很好地揭示毛白杨的遗传背景和亲缘关系,为毛白杨种质资源的利用提供依据。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭