

【作者】	王彦珍,张继华, 马荣才, 谢华, 魏建华
【单位】	北京市农林科学院生物技术研究中心, 北京
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	5
【发表页码】	1939 - 1941 ,1947
【关键字】	毛白杨; AFLP 分析; 种质资源
【摘要】	<p>[目的] 为毛白杨种质资源的利用提供依据。[方法] 以130 个毛白杨无性系为材料, 取新鲜叶片, 提取DNA, 筛选多态性引物, 进行AFLP 扩增, 分析所选材料的遗传多样性。[结果] 利用筛选出的9 对多态性引物对130 个毛白杨样品进行分析, 扩增片段的长度在50 ~400 bp 之间, 检测到612 条标记带, 每对引物可扩增出55 ~80 条标记带, 其中多态性标记210 个, 平均多态性条带23 .33 条, 多态性条带百分率为34 .31 %。聚类分析结果表明, 毛白杨的同源性与地理来源无明显关系, 来源相同的毛白杨无性系并没有完全聚在一起。聚类分析结果与材料的系谱关系一致。[结论] AFLP 标记技术能很好地揭示毛白杨的遗传背景和亲缘关系, 为毛白杨种质资源的利用提供依据。</p>
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭