

利用不同作图软件构建响叶杨×银白杨遗传图谱

王源秀<sup>1,2</sup>,徐立安<sup>2</sup>,黄敏仁<sup>2</sup>,王明麻<sup>2</sup>,张美荣<sup>1</sup>

1.安徽师范大学生命科学学院重要生物资源保护与利用研究安徽省重点实验室 芜湖 241000; 2.南京林业大学林木遗传与生物技术省部共建教育部重点实验室 南京 210037

收稿日期 2009-6-19 修回日期 2009-9-7 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用FsLinkageMap2.0和JoinMap4.0软件构建响叶杨×银白杨F<sub>1</sub>遗传整合图谱,在重组率为0.245时,二者构建的遗传框架图都包含20个主要的连锁群(4个以上标记),但2个遗传框架图的图距大小差异显著,利用JoinMap4.0构建的遗传图谱的标记排列顺序更加符合杨树一致性图谱上的标记排列顺序。估计杨树基因组总长度为2 695.56 cM,图谱的基因组覆盖度为93.34%。将利用MapMaker3.0和FsLinkageMap2.0构建的母本响叶杨的2个遗传图谱进行对比,共检测到32个对应连锁群和113个相同标记,利用FsLinkageMap2.0构建的响叶杨的遗传图谱上共显性标记的排列顺序与标记在杨树全基因组中的相对位置更符合。

**关键词** [响叶杨](#) [银白杨](#) [遗传图谱](#) [SSR](#) [SRAP](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页:王源秀<sup>1,2</sup>;徐立安<sup>2</sup>;黄敏仁<sup>2</sup>;王明麻<sup>2</sup>;张美荣<sup>1</sup>

#### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(1426KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“响叶杨”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王源秀](#)

· [徐立安](#)

· [黄敏仁](#)

· [王明麻](#)

· [张美荣](#)