



华南农业大学
South China Agricultural University

研究生院

更新日期：2017年10月26日



姓名	李加琪	性别	男
出生年月	1965年9月	籍贯	福建武平县
民族	汉族	政治面貌	中共党员
最后学历	博士研究生	最后学位	农学博士学位
技术职称	教授	导师类别	博、硕导
行政职务		Email	jqli@scau.edu.cn
工作单位	动物遗传育种与繁殖系	邮政编码	510642
通讯地址	广州市天河区五山街483号		
单位电话	85283519		
个人主页			

个人简介

李加琪，男，1965年出生，博士，教授，博士生导师。广东省农业动物基因组与分子育种重点实验室副主任。2004年中国农学会青年科技奖获得者。国家畜禽遗传资源委员会猪专业委员会委员、全国生猪遗传改良计划专家组成员。中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会常务理事、中国畜牧兽医学会养猪学分会常务理事、中国畜牧兽医学会畜禽遗传标记学分会理事。

主要从事动物遗传育种方面的教学与科研，承担主讲《家畜育种学》和《数量遗传学》和《养猪学》等课程，曾主持完成“863”计划、国家自然科学基金、农业部公益性行业（农业）科研专项等国家和省部级课题10余项，目前为国家生猪产业技术体系育种与繁殖研究室主任、岗位科学家。先后在《Genetics》、《Scientific Reports》、《BMC Genomics》、《Plos

one》、《中国农业科学》、《遗传学报》、《畜牧兽医学报》等国内外期刊发表学术论文120余篇，其中SCI收录20余篇。授权发明专利2项，获得广东省科技进步一等奖2项、农业部中华农业科技奖二等奖1项、教育部科技进步二等奖1项、广东省科技进步二等奖1项、广东省农业技术推广一等奖2项，以及其他各种个人荣誉奖等16项。

工作经历

1989.7~1992.12	华南农业大学动物科学系	教员
1992.12~1997.12	华南农业大学动物科学系	讲师
1997.12~2003.12	华南农业大学动物科学系	副教授
2003.12~至今	华南农业大学动物科学学院	教授
2005.10~2006.10.	The University of Guelph, Canada.	访问学者

教育经历

1982.9~1986.6	华南农业大学畜牧兽医系	养禽与禽病防治	农学学士
1986.9~1989.6	华南农业大学动物科学系	动物遗传育种	农学硕士
1999.9~2002.12	华南农业大学动物科学学院	动物遗传育种与繁殖	农学博士

获奖、荣誉称号

- 1、1999年，瘦肉型猪新品系选育及配套技术研究，高教厅科技进步二等奖
- 2、2000年，瘦肉型猪新品系选育及配套技术研究，广东省科技进步二等奖
- 3、2001年，被广东省教育厅遴选为“千百十工程”校级培养对象
- 4、2001年，华南农业大学教书育人三等奖
- 5、2003年，优质高效瘦肉型种猪生产示范与推广，广东省农业技术推广二等奖
- 6、2004年，优质瘦肉型猪繁殖性能分子育种技术研究，中山市科技进步一等奖
- 7、2004年，优质瘦肉型猪繁殖性能分子育种技术研究，中山市科技合作奖

- 8、2004年，中国农学会第九届青年科技奖
- 9、2004年，光明猪配套系Ⅱ系培育关键技术，广东省科技进步三等奖
- 10、2004年，光明猪配套系Ⅱ系的选育与推广，农业部全国农牧渔业丰收奖
- 11、2006年，被广东省教育厅遴选为“千百十工程”省级培养对象
- 12、2006年，安全优质猪肉生产关键技术研究及产业化示范，广州市科技进步三等奖
- 13、2007年，瘦肉型猪规模化养殖技术体系研究与产业化示范，广东省科技进步一等奖
- 14、2007年，优质瘦肉型猪成套技术应用与推广，广东省农业技术推广一等奖
- 15、2010年，华南农业大学优秀研究生导师
- 16、2011年，国家和区域性种猪遗传评估系统关键技术研发与应用，广东省科技进步一等奖
- 17、2011年，国家种猪遗传评估系统关键技术研发、建立及应用，教育部科学技术进步奖
- 18、2012年，国家种猪遗传评估系统关键技术研发、建立及应用，农业部中华农业科技奖二等奖
- 19、2012年，华南种猪遗传评估系统建立及应用，广东省农业技术推广一等奖
- 20、2013年，现代猪分子育种技术的应用与推广，广东省农业技术推广一等奖
- 21、2017年，数字化种猪育种关键技术研发与产业化应用，广东省科技进步二等奖

▣ 社会、学会及学术兼职

- 1、国家畜禽遗传资源委员会猪专业委员会委员
- 2、全国生猪遗传改良计划专家组成员
- 3、中国畜牧兽医学会动物遗传育种学分会常务理事
- 4、中国畜牧兽医学会养猪学分会常务理事
- 5、中国畜牧兽医学会畜禽遗传标记学分会理事

▣ 研究领域

分子遗传学、分子数量遗传学、分子标记辅助育种技术、种猪遗传评估和联合育种

▣ 科研项目

- 1、2014-2018，华南地区地方猪种质资源调查（2014FY120800），125万元
- 2、2015-2020，农业部现代农业产业技术体系（cars-36），350万元

发表论文

1. Ning Gao, Johannes W.R. Martini, Zhe Zhang, Xiaolong Yuan, Hao Zhang, Henner Simianer, and Jiaqi Li*. 2017. Incorporating gene annotation into genomic prediction of complex phenotypes. *GENETICS* 207:489–501
2. Xiao-Long Yuan, Zhe Zhang, Bin Li, Ning Gao, Hao Zhang, Per Torp Sangild & Jia-Qi Li*. 2017. Genome-wide DNA methylation analysis of the porcine hypothalamus-pituitary-ovary axis. *Scientific Reports* 7:4277
3. Xiaolong Yuan, Zhe Zhang, Rongyang Pan, Ning Gao, Xi Deng, Bin Li, Hao Zhang, Per Torp Sangild, Jiaqi Li*. 2017. Performance of reduced representation bisulfite sequencing for different fragment sizes in pigs. *Biological Procedures Online* 19(1):5
4. XU Yuan, ZHANG Ai-ling, ZHANG Zhe, YUAN Xiao-long, CHEN Zan-mou, ZHANG Hao, LI Jia-qi*. 2017. MicroRNA-34c regulates porcine granulosa cell function by targeting forkhead box O3a. *Journal of Integrative Agriculture* 16(9):2019–2028
5. Xiao-Long Yuan, Ning Gao, Yan Xing, Hai-Bin Zhang, Ai-Ling Zhang, Jing Liu, Jin-Long He, Yuan Xu, Wen-Mian Lin, Zan-Mou Chen, Hao Zhang, Zhe Zhang & Jia-Qi Li*. 2016. Profiling the genome-wide DNA methylation pattern of porcine ovaries using reduced representation bisulfite sequencing. *Scientific Reports* 6:22138
6. XU Yuan, ZHANG Ai-ling, XIAO Guang, ZHANG Zhe, CHEN Zan-mou1, ZHANG Hao, LI Jia-qi*. 2016. p53 and NFκB regulate microRNA-34c expression in porcine ovarian granulosa cells. *Journal of Integrative Agriculture* 15(8):1816–1824
7. Zhe Zhang, Malena Erbe, Jinlong He, Ulrike Ober, Ning Gao, Hao Zhang, Henner Simianer, Jiaqi Li*. 2015. Accuracy of whole genome prediction using a genetic architecture enhanced variance-covariance matrix. *G3-Genes Genomes Genetics* 4:615-627
8. Ning Gao, Jiaqi Li*, Jinlong He, Guang Xiao, Yuanyu Luo, Hao Zhang, Zanmou Chen and Zhe Zhang. 2015. Improving accuracy of genomic prediction by genetic architecture based priors in a Bayesian model. *BMC Genetics* 16:120
9. Zhe Zhang, Ulrike Ober, Malena Erbe, Hao Zhang,

Ning Gao, Jinlong He, Jiaqi Li*, Henner Simianer. 2014. Improving the Accuracy of Whole Genome Prediction for Complex Traits Using the Results of Genome Wide Association Studies. PLoS ONE 9(3):e93017

10.Hao Zhang, Shouqi Wang, Manqing Liu, Ailing Zhang ,Zhenfang Wu ,Zhe Zhang ,Jiaqi Li*. 2013. Differential gene expression in the endometrium on gestation day 12 provides insight into sow prolificacy. BMC Genomics 14(1):45

出版专著和教材

1. 2007, 《家畜育种学》(全国高等农林院校十一五规划教材, 参编) (ISBN 978-7-109-11850-8)
2. 1997, 《动物遗传标记》(专著, 参编) (ISBN 7-81002-868-5)
3. 2016, 《线性模型在动物育种值预测中的应用》(译著, 参译) (ISBN 978-7-109-22169-0)
4. 2012, 《生猪养殖技术百问百答》(科普, 副主编) (ISBN 978-7-109-16672-1)
5. 2012, 《生猪标准化养殖技术图册》(科普, 参编) (ISBN 978-7-5116-0855-0)
6. 2016, 《中国现代化农业产业可持续发展战略研究》(研究报告, 参编) (ISBN 978-7-109-22169-0)

科研创新

- 1、一种小型动物代谢气体收集系统, ZL201220102665.X
- 2、一种优化的硫化物醌氧化还原酶基因及其表达载体, ZL201210197611.0
- 3、miR-126-3p在猪卵巢颗粒细胞中的应用, 201610034859
- 4、PIK3R2在猪卵巢颗粒细胞中的应用, 201610034834
- 5、基于性状特异信息的基因组遗传评估计算软件, 2017SR505313
- 6、种猪联合育种服务软件V1.2, 2009SR10690

教学活动

- 1、本科生课程: 家畜育种学
- 2、博士硕士课程: 现代动物育种原理与方法、动物数量遗传学、动物遗传育种文献综述与专题讨论

▣ 指导学生情况

1、已毕业博士8人、硕士40人

2、在读博士3人、硕士8人