

【作者】	邹剑戎, 苏玉虹
【单位】	辽宁医学院, 辽宁锦州
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	34
【发表页码】	14900 - 14901 , 14904
【关键字】	MC4 R 基因; 多态性; 荷包猪
【摘要】	[目的] 分析荷包猪MC4 R 基因TaqI 酶切位点多态性, 为了解其遗传特点奠定基础。[方法] 利用PCR- RFLP 技术研究荷包猪保种群体MC4 R 基因型分布情况, 并与国内外猪种的MC4 R 基因频率进行比较。[结果] 不同品系猪的MC4 R 基因的Asp298Asn 突变分布差别显著。荷包猪MC4 R 基因优势基因型为AA, 基因型频率为66 .67% , 而BB 基因型未能检出。荷包猪MC4 R 基因型与国内梅山猪、民猪和莱芜猪等稍有不同, 与国外汉普夏、大白、皮特兰等差别较大, 总体显示国内地方猪种298Asp 基因为优势基因, 而外种猪基因 Asp298Asn 突变率显著高于我国地方猪种。[结论] 该研究为荷包猪资源保存、品种选育和开发利用提供了科学依据。
【附件】	 PDF下载 PDF阅读器下载

关闭