

## 鸭茅杂交种的SSR分子标记鉴定及其遗传变异分析

谢文刚, 张新全, 陈永霞

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 以140个鸭茅杂交种单株及其亲本(01996、YA02103)为材料,用SSR分子标记技术研究杂种与其亲本间扩增谱带的多态性,以甄别真假杂种。SSR标记在供试材料中的扩增带型表现为互补型、父本型及其他型。利用3对特异引物A01G20、A03N16、A03K22可快速准确地鉴定出杂交种111份。试验所用的100对SSR引物中有13对引物分别在杂种和双亲之间存在扩增多态性。13对引物在供试材料中共扩增出多态性条带76条,平均每对引物扩增出6条,多态性百分率为84.24%。供试材料具有丰富的遗传变异,利用SSR进行鸭茅杂种鉴定及遗传变异分析是可行的。

**关键词** [鸭茅; SSR 标记; 杂种鉴定; 遗传变异分析](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: [谢文刚](#); [张新全](#); [陈永霞](#)

### 扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(759KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中包含“鸭茅; SSR 标记; 杂种鉴定; 遗传变异分析”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [谢文刚](#)
- [张新全](#)
- [陈永霞](#)