

【作者】	蔡锦顺, 张嘉保, 严昌国, 姜昊, 高岩, 梁成云
【单位】	吉林大学农学部, 吉林长春
【卷号】	37
【发表年份】	2009
【发表刊期】	33
【发表页码】	16261-16262, 16270
【关键字】	延边黄牛; GHR 基因; PCR SSCP; 多态性
【摘要】	<p>[目的] 寻找可用于标记辅助选择的分子标记, 为延边黄牛分子生物学选种提供依据。[方法] 以46头纯种延边黄牛血样为试材, 利用PCR SSCP技术对 GHR 基因的第8外显子进行检测并测序, 检测了延边黄牛群体内 GHR 的遗传变异。[结果] 对扩增产物进行的SSCP检测发现, 有3种基因型, 分别为AA、BB、AB, 其中AA、BB为纯合子, AB为杂合子。以AA和BB个体为样本的测序分析发现, 有一个新多态性位点。GHR 基因多态位点遗传分析表明, AA型个体较多, AB型和BB型个体较少。GHR 基因的AA基因型效应在部分生长性状上优于其他基因型, 差异达到显著水平。[结论] 研究提示, GHR 基因有可能作为延边黄牛生长性状的候选基因; 在育种时应结合多个基因位点才能达到有效选育目的。</p>
【附件】	 PDF下载 <a href="#">PDF阅读器下载</a>

关闭