



刘志鹏

【来源：草地农业生态系统国家重点实验室 | 发布日期：2014-03-26】



一、个人简介

刘志鹏，副教授，硕士生导师，兰州大学“萃英计划”引进人才。

Email: lzp@lzu.edu.cn; 通讯地址：甘肃省兰州市嘉峪关西路768号，邮编730020。

二、研究兴趣

1. 豆科牧草有性生殖的分子特征。主要探讨紫花苜蓿、箭筈豌豆的花发育、种子发育的分子特征；2. 高通量测序挖掘牧草的基因资源。主要通过第二代高通量测序方法，获取重要牧草如箭筈豌豆、紫花苜蓿、老芒麦、披碱草等的转录组信息，并开发个体物种特异的EST-SSR分子标记；3. 牧草育种。建立牧草的种质资源圃，通过常规选育、转基因育种等方法培育高产、多抗、优质牧草新种质；4. 牧草种子的真实性鉴定。如通过分子生物学方法，区分种子形态相似的常见牧草。

三、教育工作经历

1997-2001年于西北农林科技大学获学士学位；2001-2004年于西北农林科技大学和中国农业科学院北京畜牧兽医研究所获硕士学位；2004-2007年于中国科学院植物研究所获博士学位；2008-2009年于清华大学生命科学学院做博士后研究。2009年10月至今，于兰州大学草地农业科技学院工作，副教授、硕导。

四、科研成果

发表文章：

1. Liu ZP, Chen TL, Ma LC, Zhao ZG, Zhao PX, Nan ZB and Yanrong Wang YR. Global transcriptome sequencing using the Illumina platform and the development of EST-SSR markers in autotetraploid alfalfa. *Plos ONE*, 2013, 8, e83549. (IF=3.73)
2. Ma LC, Wang YR, Liu WX, Liu ZP (通讯作者). Expression analysis of seed-specific genes in four angiosperm species with

2. Ma LC, Wang YR, Liu ZX (刘志鹏). Expression analysis of seed-specific genes in four angiosperm species with an emphasis on the unconserved expression patterns of homologous genes. *Seed Sci Res*, 2013, 23, 223-231. (IF=1.93)
3. **Liu ZP**, Ma LC, Nan ZB, Wang YR. Comparative transcriptional profiling provides insights into the evolution and development of the zygomorphic flower of *Vicia sativa* (Papilionoideae). *Plos ONE*, 2013, 8, e57338. (IF=3.73)
4. Liu WX, Zeng HM, **Liu ZP**, Yang XF, Guo LH, Qiu DW. Mutational analysis of the *Verticillium dahliae* protein elicitor PevD1 identifies distinctive regions responsible for hypersensitive response and systemic acquired resistance in tobacco. 2013. *Microbio Res*. (IF=1.99)
5. **Liu ZP**, Chen ZY, Pan J, Li XF, Su M, Wang LJ, Li HJ, and Liu GS. Phylogenetic relationships in *Leymus* Poaceae: Triticeae revealed by the nuclear ribosomal internal transcribed spacer and chloroplast trnL-F sequences. *Mol Phylogenet Evol*, 2008, 46: 278-289. (IF=3.99).
6. **Liu ZP**, Li XF, Li HJ, Yang QC, and Liu GS. The genetic diversity of perennial *Leymus chinensis* originating from China. *Grass Forage Sci*, 2007, 62: 27-34. (IF=1.035).
7. **Liu ZP**, Liu GS, and Yang QC. A novel statistical method for assessing SSR variation in autotetraploid alfalfa (*Medicago sativa* L.). *Genet Mol Biol*, 2007, 30: 385-391. (IF=0.574).
8. Liu XL, Hua XJ, Guo J, Wang LJ, **Liu ZP**, Jin ZP, Chen SY, and Liu GS. Enhanced tolerance to drought stress in transgenic tobacco plants overexpressing VTE1 for increased tocopherol production from *Arabidopsis thaliana*. *Biotechnol Lett*, 2008, 30: 1275-1280. (IF=1.85)
9. Yan LF, Han JG, Yang QC, Sun Y, Kang JM, **Liu ZP**, Wu MS. Isolation and characterization of a cDNA encoding a papain-like cysteine protease from alfalfa. *DNA Seq*, 2008, 19: 274-281.
10. 孔令芳, 张吉宇, 刘志鹏, 王彦荣. 无芒隐子草SAMS1基因的克隆及干旱胁迫下的表达分析. 草业学报, 2013, 22: 268-275.
11. 刘鹏, 马利超, 王宇, 刘志鹏. 野豌豆属牧草种质花粉形态的扫描电镜观察. 草业科学, 2013, 30: 1755-1761.
12. 王宇, 刘文献, 王彦荣, 刘志鹏. 疣藜苜蓿遗传转化体系研究进展. 草业科学, 2013, (已接收, DOI: 10.11829/j.issn.1001-0629.2013-0149) .
13. 刘鹏, 马利超, 王宇, 刘志鹏. 16种野豌豆属植物花粉形态的扫描电镜观察. 草业学报, 2013 (已接收) .
14. 刘文献, 刘志鹏, 谢文刚, 王彦荣. 脂肪酸及其衍生物对植物逆境胁迫的响应. 草业科学, 2013, (已接收) .
15. 马利超, 王彦荣, 刘志鹏. 疣藜苜蓿花器官特异基因的表达分析. 遗传, 2012, 34: 621-634.
16. 张妙青, 张吉宇, 刘志鹏, 王彦荣, 张磊. 垂穗披碱草MADS-box基因WM8克隆及分析. 草业学报, 2012, 21: 141-150.
17. 张妙青, 王彦荣, 张吉宇, 刘志鹏, 张磊, 聂斌, 周晶. 垂穗披碱草种质资源繁殖相关特性遗传多样性研究. 草业学报, 2011, 20: 182-191.
18. 张磊, 刘志鹏, 王彦荣. 箭筈豌豆AGAMOUS同源基因及其启动子的克隆和分析. 作物学报, 2011, 37: 1735-1742.
19. 张磊, 刘志鹏, 张吉宇, 张妙青, 王彦荣. 箭筈豌豆甘油醛-3-磷酸脱氢酶基因片段的克隆及序列分析. 草业科学, 2011, 28: 753-757.
20. 刘志鹏, 张吉宇, 王彦荣. 紫花苜蓿配子体发育遗传调控的研究进展. 草业学报, 2011, 20: 270-278.
21. 刘志鹏, 张吉宇, 王彦荣. 自体吞噬在植物生长发育中的功能. 西北植物学报, 2010, 30: 2141-2149.
22. 张磊, 刘志鹏, 张吉宇, 张妙青, 王彦荣. 箭筈豌豆两个肌动蛋白基因片段的克隆及序列分析. 生物技术通报, 2010, 9: 70-75.
23. 刘志鹏, 王能飞, 赵爱云, 刘公社. 低拷贝核基因在异源多倍体植物中的进化与表达. 遗传, 2007, 29: 163-171.
24. 刘志鹏, 杨青川, 呼天明, 闫龙凤, 王超. 用SSR标记研究不同耐盐特性四倍体紫花苜蓿的遗传多样性. 作物学报, 2006, 32: 630-632.
25. 杨青川, 刘志鹏, 呼天明, 胡晓艳. 2004. DNA分子标记技术在苜蓿研究中的应用. 中国农业科技导报 6: 31-34.
26. 刘志鹏, 杨青川, 呼天明. 抗臌胀病紫花苜蓿研究进展. 四川草原, 2003, 5: 7-8.
27. 刘志鹏, 杨青川, 呼天明. 侧根型紫花苜蓿遗传基础及其育种研究进展. 中国草地学报, 2003, 25: 66-71
28. 刘志鹏, 吴孝兵. 浅谈非淀粉多糖对家禽生产的利弊. 中国禽业导刊, 2002, 18:38-39
29. Liu GS, **Liu ZP**. Phylogenetic relationship of *Leymus chinensis* revealed by ITS and chloroplast trnL-F sequences. 2008. Multifunctional Grasslands in a Changing World IGC/IRC Conference Volume I: 217. 国际会议论文.
30. Liu GS, **Liu ZP**. Evaluation of germplasm of *Leymus chinensis* in north of China. 2008. Multifunctional Grasslands in a Changing World IGC/IRC Conference Volume II: 484. 国际会议论文.
31. **Liu ZP** Wang YR. Global Illumina sequencing and the development of EST-SSR markers in alfalfa. 2013. Proceedings 22nd International Grassland Congress. 335-336. 国际会议论文.

国家发明专利:

1. 刘志鹏, 马利超, 王彦荣. 鉴定紫花苜蓿种子真伪的试剂盒及其检测方法. (已授权, 专利号: ZL201210012201.4)

2. 刘志鹏, 刘鹏, 马利超, 王彦荣, 邵建辉. 鉴定高丹草种子真伪的试剂盒及其检测方法. (已受理, 申请号: 201310477580.9)
3. 刘志鹏, 马利超, 罗栋, 王彦荣, 陈天龙. 一种紫花苜蓿胚根直接用于PCR反应的方法. (已受理)
4. 刘志鹏, 刘鹏罗栋, 王彦荣, 邵建辉, 王宇. 一种鉴定多年生黑麦草种子真伪的特异分子标记. (已受理)
5. 刘志鹏, 罗栋, 马利超, 王彦荣, 王宇. 一种鉴定披碱草种子真伪的特异分子标记. (已受理)
6. 刘志鹏, 周强, 马利超, 王彦荣, 陈天龙. 一种禾本科牧草胚根直接用于RAPD反应的方法. (已受理)

参与修订国家标准:

1. 牧草种子检验规程 扦样; 编号: GB / T 2930.1
2. 牧草种子检验规程 净度分析; 编号: GB / T 2930.2
3. 牧草种子检验规程 其他植物种子数测定; 编号: GB / T 2930.3
4. 牧草种子检验规程 发芽试验; 编号: GB / T 2930.4
5. 牧草种子检验规程 生活力的生物化学(四唑)测定; 编号: GB / T 2930.5
6. 牧草种子检验规程 健康测定; 编号: GB / T 2930.6
7. 牧草种子检验规程 种及品种测定; 编号: GB / T 2930.7
8. 牧草种子检验规程 水分测定; 编号: GB / T 2930.8
9. 牧草种子检验规程 重量测定; 编号: GB / T 2930.9
10. 牧草种子检验规程 包衣种子测定; 编号: GB / T 2930.10

五、科研项目

1. 国家重点基础研究发展计划(973计划): 重要牧草、乡土草抗逆优质高产的生物学基础, 课题编号: 2014CB138704; 起止年月: 2014-2019(学术骨干)
2. 国家自然科学基金面上项目: 紫花苜蓿种子发育分子机理的研究, 项目编号: 31272492; 起止年月: 2013.01-2016.12(主持人)
3. 国家自然科学基金面上项目: MsE58基因调控紫花苜蓿配子体发育分子机理的研究, 项目编号: 31072072; 起止年月: 2011.01-2013.12(主持人)
4. 国家自然科学基金青年基金: 茉莉素和赤霉素信号互作调控植物雄性不育的分子机理, 项目编号: 30800593; 起止年月: 2009.01-2011.12(主持人)

[打印本页](#) [关闭窗口](#) [返回顶部](#)

友情链接

[MORE >>](#)

科技部 教育部 中国工程院 国家自然科学基金委 国家重点基础研究发展计划 国家科技支撑计划 兰州大学 兰州大学草地农业科技学院 草业学报 草业科
农业部草地农业生态系统学重点开放实验室 农业部牧草与草坪草种子质量监督检验测试中心(兰州) 草地农业教育部工程研究中心 甘肃省西部草业工程技术研究中心

Copyright(C) 2011 草地农业生态系统国家重点实验室All Rights Reserved

地址: 甘肃省兰州市嘉峪关西路768号 邮编: 730020