

用nrDNA ITS序列探讨小麦族含StH基因组物种的系统发育

王晓丽, 凡星, 张春, 沙莉娜, 张海琴, 周永红

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 小麦族中具S t H 基因组的物种被包含在广义披碱草属中。本研究利用n r D N A I T S序列, 采用最大简约法、最大似然法和基于M J 算法的网状结构分析, 对1 6 个不同地理分布和形态特征的具S t H 基因组组成的物种及8 个含S t 和H 基因组的拟鹅观草属和大麦属的二倍体物种进行了系统发育分析。结果表明, 1) 过去归属于裂颖草属和狷草属的物种大松鼠尾巴草、瓶刷草和狷草与披碱草属物种关系较近, 应当划入披碱草属中; 2) 北美的S t H 基因组物种聚类在一起, 其亲缘关系较近, 它们与欧亚大陆的S t H 基因组物种存在较大变异和分化; 3) 具S t H 基因组物种较大程度的变异和分化与物种的地理分布有关; 4) S t 基因组和H 基因组的二倍体物种分别存在较大的分化。同时本研究还讨论了造成小麦族S t H 基因组物种变异和分化的可能原因。

关键词 [小麦族](#); [披碱草属](#); [S t H 基因组](#); [系统发育](#); [分化](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [王晓丽](#); [凡星](#); [张春](#); [沙莉娜](#); [张海琴](#); [周永红](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(886KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中包含“小麦族; 披碱草属; S t H 基因组; 系统发育; 分化”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [王晓丽](#)
- [凡星](#)
- [张春](#)
- [沙莉娜](#)
- [张海琴](#)
- [周永红](#)