

畜牧·兽医·资源昆虫

亚洲部分地区东方蜜蜂mtDNA多态性研究

谭 垦,张 炫,周丹银,和绍禹

(云南农业大学东方蜜蜂研究所, 云南 昆明 650201)

收稿日期 2003-9-11 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 就云南省7个不同样点共7群东方蜜蜂蜂群开展mtDNA内切酶位点测试和分析研究,并与菲律宾的东方蜜蜂作对比分析。内切酶DraI分析7个蜂群,共发现4个内切酶位点;云南东方蜜蜂mtDNA的tRNA^{Leu}-COII基因的序列没有长度多态性,EcoRI内切酶位点共有4个,与菲律宾的吕宋岛的东方蜜蜂属于同一单倍型。另外,对来自尼泊尔、泰国、越南、老挝以及我国北京、云南等地的共13群蜜蜂mtDNA COII基因的420个碱基对进行测序分析,发现13群东方蜜蜂分析的420个碱基序列里,位点变异从0个到5个不等,变异率从0到1.19%。用邻接法(neighbor-joining)构建的分子系统树可以看出分枝树主要分为两个类群:高纬度或高海拔的蜂群为一个类群,它们主要来自撒营盘(2)(China 4)、丽江(China 7)、北京(1)(China 1)、尼泊尔(Nepal)、北京(2)(China 2)、河口(1)(China 8)和越南(2)(Vietnam 2)。另一个类群的主要来自低纬度或低海拔的蜂群,它们主要来自撒营盘(1)(China 3)、景洪(China 5)、越南(1)(Vietnam 1)、泰国(Thailand)、河口(2)(China 6)和老挝(Laos)。该实验为我国东方蜜蜂资源的保护和开发研究提供了重要的信息和手段。

关键词 [东方蜜蜂](#) [mtDNA](#) [COII基因](#) [系统发生学](#)

分类号 [S 891](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [谭 垦](#); [张 炫](#); [周丹银](#); [和绍禹](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(702KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“东方蜜蜂”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [谭 垦](#)
- [张 炫](#)
- [周丹银](#)
- [和绍禹](#)