

动物科学

云南省东方蜜蜂线粒体16S rRNA基因的扩增及序列分析*

谭宏伟, 董霞, 和绍禹

(云南农业大学 东方蜜蜂研究所, 云南 昆明 650201)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 2008-11-24 接受日期 2008-11-3

摘要 扩增、测定和分析了云南省东方蜜蜂16个地理居群线粒体16S rRNA基因部分序列, 并结合从GenBank获得的蜜蜂科3个其它种的16S rRNA序列, 以离颚细蜂科的 *Vanhornia eucnemidarum* 为外群, 利用邻接法、最大简约法和最大似然法重构了它们的种系发生关系。结果显示, 云南省东方蜜蜂16S rRNA基因部分序列很保守, 不同地理居群均得到435 bp完全一致的基因序列; 通过对蜜蜂科4个种的种系发生关系分析发现, 东方蜜蜂与西方蜜蜂位于一个姊妹枝, 而熊蜂与无刺蜂位于一个进化枝, 4个种得到了有效的区分。因此, 16S rRNA可以作为一个理想的分子遗传标记用于蜜蜂科种间鉴定和种系发生关系分析。

关键词 [东方蜜蜂](#); [线粒体DNA](#); [16S rRNA基因](#); [序列分析](#)

分类号 [S 892](#)

DOI:

通讯作者:

董霞 dxia0709@126.com

作者个人主页: 谭宏伟; 董霞; 和绍禹

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF](#) (1008KB)
- ▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“东方蜜蜂; 线粒体DNA; 16S rRNA基因; 序列分析”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [谭宏伟](#)
- [董霞](#)
- [和绍禹](#)