

## 家蚕AFLP分子连锁图谱的构建及绿茧基因定位

赵爱春, 鲁成<sup>①</sup>, 李斌, 普孝英, 周泽扬, 向仲怀

西南农业大学蚕学与生物技术学院;农业部蚕桑学重点实验室;重庆 400716

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用改进的AFLP技术,对家蚕品系C100和大造的回交一代BC1群体进行连锁图谱的构建。经28对引物组合的选择性扩增,共获得了3 956条带,平均每对引物产生141.3条带,获得多态性带只有1018条,多态性带的比率为25.7%。其中693(68.1%)个多态性位点符合1:1孟德尔分离比例。利用Mapmaker/Exp 3.0软件进行连锁分析,构建了一张含有408个标记位点、33个连锁群、总图距为3 676.7 cM的连锁图谱,并将绿茧基因定位在该图谱的22连锁群上,表明该连锁群与家蚕经典遗传学的第15染色体相对应。

**关键词** [家蚕](#) [分子连锁图谱](#) [AFLP](#) [绿茧](#)

分类号

The Key Sericultural Laboratory of Agricultural Ministry; Sericulture and Biotechnology Department  
Southwest Agricultural University; Chongqing 400716; China

### Abstract

**Key words** [Bombyx mori](#) [molecular markers linkage map](#) [AFLP\(amplified fragment length polymorphism\)](#) [green cocoon](#)

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(384KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“家蚕”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [赵爱春](#)
- [鲁成](#)
- [李斌](#)
- [普孝英](#)
- [周泽扬](#)
- [向仲怀](#)