

畜牧·兽医·资源昆虫

利用SSR标记进行家蚕引进品种资源的指纹图谱分析

侯成香,李木旺,张月华,钱荷英,孙平江,徐安英,苗雪霞,郭秋红,相辉,黄勇平

中国农业科学院蚕业研究所

收稿日期 2005-8-16 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 用35个SSR标记研究了96个家蚕品种资源的指纹图谱,包括包括47个欧洲系统一化性品种,13个日本系统一化性品种和1个日本系统二化性品种;以及35个中国系统二化性品种的指纹图谱。这些SSR标记在家蚕品种间表现出丰富的多态性,等位基因数量在3~28个,平均为13.34个,多态性指数(PIC)在0.299~0.919,平均0.71。根据各品种的指纹图谱,用Nei(1978)的方法计算了各品种间的遗传距离,最大为0.1983,最小为0.0641,并用UPGMA方法进行了聚类,得到的分子系统图与传统意义上的形态分类方法接近但存在一些微小的差异。根据遗传分析结果,探讨了家蚕的起源与进化关系。我们的研究表明,SSR标记非常适合于进行品种资源的指纹图谱分析和分子标记辅助育种的一种标记。

**关键词** [家蚕](#) [品种资源](#) [SSR标记](#) [指纹图谱](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

李木旺 李木旺 [cangene@pub.zj.jsinfo.net](mailto:cangene@pub.zj.jsinfo.net)

作者个人主页:侯成香;李木旺;张月华;钱荷英;孙平江;徐安英;苗雪霞;郭秋红;相辉;黄勇平

#### 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(348KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 无 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [侯成香](#)

· [李木旺](#)

· [张月华](#)

· [钱荷英](#)

· [孙平江](#)

· [徐安英](#)

· [苗雪霞](#)

· [郭秋红](#)

· [相辉](#)

· [黄勇平](#)