

生物技术

定量检测牛雌性发育候选基因 *FOXL2* 表达方法的建立

徐超^{1,2}, 杜卫华², 赵家平¹, 余大为², 王栋², 郝海生², 李光玉¹, 朱化彬²

1. 中国农业科学院特产研究所, 吉林吉林 132109;
2. 中国农业科学院北京畜牧兽医研究所, 北京 100193

收稿日期 2011-6-20 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 本研究根据GenBank中登录的剂量敏感的翼状螺旋/叉头转录因子2(forkhead transcription factor 2, *FOXL2*)设计引物, 构建包含*FOXL2*基因cDNA片段的质粒, 作为中国荷斯坦牛*FOXL2*基因mRNA定量检测的标准品, 建立了*FOXL2*基因mRNA表达实时荧光定量PCR检测方法。结果表明, 该方法特异性好, 检测灵敏度达 10^1 拷贝, 线性范围为 $10^1 \sim 10^6$ 拷贝, 阈值循环数(Ct)与PCR体系中起始模板量的对数值之间有着良好的线性关系($r=0.998689$), 扩增效率高($E=99.62\%$), 可以作为检测牛*FOXL2*基因mRNA定量检测方法。

关键词 [FOXL2基因](#) [荧光定量PCR](#) [TaqMan探针](#) [标准曲线](#)

分类号 [Q786](#)

DOI:

通讯作者:

朱化彬 huabinzhu@yahoo.com.cn

作者个人主页: 徐超^{1,2}; 杜卫华²; 赵家平¹; 余大为²; 王栋²; 郝海生²; 李光玉¹; 朱化彬²

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(OKB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“FOXL2基因”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [徐超](#)
- [杜卫华](#)
- [赵家平](#)
- [余大为](#)
- [王栋](#)
- [郝海生](#)
- [李光玉](#)
- [朱化彬](#)