

畜牧·资源昆虫

青藏高原7种嵩草遗传多样性AFLP研究

西北农林科技大学资源环境学院

收稿日期 2007-7-2 修回日期 网络版发布日期 2008-9-10 接受日期

**摘要** 【目的】从分子水平研究嵩草品种资源之间的遗传多样性，为综合评价青藏高原嵩草种质资源提供依据。  
【方法】用筛选出的4对E+3/M+3引物对11份嵩草基因组 DNA进行 AFLP扩增。【结果】共得到164条清晰可辨条带，多态性条带154条，多态性位点百分率为93.96%，嵩草平均Nei's 基因多样性指数为0.2430，Shannon's多样性指数为 0.4012，表明嵩草种质间存在丰富的遗传多样性。通过UPGMA聚类分析，将11个嵩草居群划分为5类。【结论】嵩草的11个自然居群存在丰富遗传多样性，嵩草居群的遗传相似系数与海拔之间没有相关性，嵩草居群的生境的异质性影响遗传分化。

**关键词** [嵩草](#) [遗传多样性](#) [AFLP](#)

分类号

DOI:

通讯作者：  
呼天明 [hutianming@126.com](mailto:hutianming@126.com)  
作者个人主页：

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(364KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“嵩草”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章  
· [郑红梅, 呼天明, 王伶珍, 张国云, 宋江湖](#)