

动物营养

猪肠道钠氢交换载体(NHE3)mRNA表达的肠段特异性和发育性变化

邹仕庚^{1, 2}, 冯定远^{1*}, 黄志毅¹, 李岩³, 吴同山³, 左建军¹, 职爱民¹, 董泽敏¹, 张常明¹, 刘清神¹

1.华南农业大学动物科学学院, 广州 510642;
2.广东科贸职业学院, 广州 510430; 3.东莞市畜牧科学研究所, 东莞 523086

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 旨在探讨猪肠道钠氢交换载体(NHE3)mRNA表达的肠段特异性和发育模式, 为NHE在养猪生产中的应用提供理论依据。选取遗传背景相同的1、7、26、30、60、90和150 d蓝塘和长白公猪各5头, 测体质量后屠宰, 取十二指肠、空肠、回肠和结肠组织样品; 以18S rRNA为内标基因, 用实时荧光定量PCR法检测NHE3 mRNA在60 d长白猪表达的肠段特异性及其在蓝塘和长白猪肠道表达的发育模式。结果显示: 长白猪肠道NHE3 mRNA的表达丰度为结肠、十二指肠、空肠和回肠依次降低, 且结肠显著高于空肠和回肠(P<0.05)。不同猪种NHE3 mRNA在十二指肠和空肠的表达模式相似; 蓝塘和长白猪NHE3 mRNA的表达丰度分别在7和30 d(十二指肠)、7和26 d(空肠)达最高水平(P<0.05)。不同猪种结肠NHE3 mRNA的表达模式不同, 分别与其在十二指肠和空肠的发育呈现不同的模式; 蓝塘猪结肠NHE3 mRNA的表达丰度在26、90和150 d时显著低于长白猪(P<0.05)。以上结果说明, 猪肠道NHE3 mRNA的表达受到发育阶段、品种和肠段的调控, 且在十二指肠和空肠间具有品种稳定性。

关键词 [猪; 肠道; NHE3 mRNA; 肠段特异性; 发育模式](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

冯定远 fengdy@scau.edu.cn

作者个人主页: [邹仕庚^{1, 2}](#); [冯定远^{1*}](#); [黄志毅¹](#); [李岩³](#); [吴同山³](#); [左建军¹](#); [职爱民¹](#); [董泽敏¹](#); [张常明¹](#); [刘清神¹](#)

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(689KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“猪; 肠道; NHE3 mRNA; 肠段特异性; 发育模式”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [邹仕庚](#)
- [冯定远](#)
- [黄志毅](#)
- [李岩](#)
- [吴同山](#)
- [左建军](#)
- [职爱民](#)
- [董泽敏](#)
- [张常明](#)