

## 猪胴体脂肪沉积性状的QTL定位

苏玉虹1, 熊远著1, 张勤2, 蒋思文1, 雷明刚1, 余雳1, 郑嵘1, 邓昌彦1

1.华中农业大学农业部猪遗传育种重点实验室;武汉 430070; 2.中国农业大学动物科技学院;北京 100094

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 市场生猪价格的决定因素之一是背膘厚度, 因此, 对养猪行业来说, 确认影响这一性状的基因组区域就显得非常必要. 1998年, 由大白和梅山猪杂交繁殖的资源家系, 随机选留81头F2, 全部屠宰. 用48个微卫星标记进行1~4, 6~7号染色体 (SSC) 的扫描. 用线性模型最小二乘法对胴体脂肪性状进行区间作图. 除SSC2外, 其余5条染色体共有14个QTL影响脂肪沉积, 其中SSC7上4个QTL有印记效应存在. 平均背膘厚QTL定位于SSC1、4和7, SSC4平均背膘厚QTL达染色体极显著水平 ( $P < 0.01$ ), SSC1和7上平均背膘厚QTL与多个文献报道结果一致, 可能是家猪中普遍存在的QTL. 花油率QTL定位于SSC6, 内脂率QTL定位于SSC7. 肥肉率等其他4项脂肪性状定位在SSC3、4和7.

**关键词** [猪](#) [区间定位](#) [胴体脂肪沉积](#) [染色体1~4](#) [6~7](#) [微卫星标记](#)

分类号

### Abstract

### Key words

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(116KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)

#### Email Alert

- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“猪”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [苏玉虹](#)
- [熊远著](#)
- [张勤](#)
- [蒋思文](#)
- [雷明刚](#)
- [余雳](#)
- [郑嵘](#)
- [邓昌彦](#)