

利用商品猪群定位猪耳型QTL

郭晓令^{1, 2}, Looft Christian², Reinsch Norbert², Kalm Ernst², ①

1. 浙江大学动物科学学院; 杭州 310029; 2. 基尔大学畜牧兽医所; 德国基尔 24098

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 由19头杂种公猪[皮特兰x(皮特兰x汉普夏)]、52头杂种母猪[Leicoma x(大约克x长白)]及其332头后代组成的商品群作为参考家系, 选择172个微卫星标记和3个I类标记(RYR1、PIT1、PRKAG3)对参考家系的个体进行遗传标记分型, 构建了猪的整个基因组微卫星连锁图谱。按照线性评分的方法(竖耳: 1分; 垂耳: 1分; 半垂耳: 0分)测定猪的耳型表型值。耳型测定值的平均值为0.23, 标准差为0.82。应用最小二乘回归方法对耳型的QTL进行定位, 结果仅在6号染色体的末端(Sw1881和Sw322)之间以1%基因组显著性水平检测出1个耳型基因位点, 而在其他染色体上即使10%染色体显著性水平上也没有发现QTL。

关键词 [猪](#) [微卫星标记](#) [耳型](#) [QTL定位](#)

分类号

1. College of Animal Science; Zhejiang University; Hangzhou 310029; China; 2. Institute of Animal Breeding and Husbandry; Christian-Albrechts-University; Kiel 24098; Germany

Abstract

Key words [pig](#) [microsatellite marker](#) [ear shape](#) [QTL mapping](#)

DOI:

通讯作者

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(131KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“猪”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [郭晓令](#)
- [Looft Christian](#)
- [Reinsch Norbert](#)
- [Kalm Ernst](#)
-