

遗传繁育

MyoD基因在不同猪种中的分布及群体遗传结构分析

朱砺,李学伟,帅素容,李芳琼,陈磊,李明洲

四川农业大学动物科学技术学院

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用RFLP法检测了MyoD基因在10个中外猪种及部分杂交群体中的分布情况,分析了各群体内MyoD基因的遗传分布、遗传变异、群体杂合性等群体遗传信息,并进一步以各群体基因频率为基础,计算出群体间遗传距离和进化距离,根据进化距离对群体进行聚类,重建了系统发生树。结果表明:MyoD基因内含子1的Dde I酶切位点上不同基因型的分布在多数群体中都服从Hardy Weinberg平衡,但在杜洛克和DLY群体中发生偏离。总体上讲,各试验群体的遗传多样性较丰富,群体遗传变异性较高,进化过程中受到自然选择压的作用,选择潜力较大。在系统发生树上,10个群体被分为4个分枝。分别是长白猪血缘、原始地方品种、杜洛克血缘和高原藏猪分枝。这一结果与各猪种的育种过程有较高的吻合性。说明部分功能基因的RFLP数据可用于近缘物种间的遗传分化研究。

关键词 [猪; MyoD基因; 遗传多态性; 系统发育](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 朱砺;李学伟;帅素容;李芳琼;陈磊;李明洲

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(439KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“猪; MyoD基因; 遗传多态性; 系统发育”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [朱砺](#)
- [李学伟](#)
- [帅素容](#)
- [李芳琼](#)
- [陈磊](#)
- [李明洲](#)