

## 遗传繁育

### 20个山羊品种FSH $\beta$ 基因部分序列测定及与其它8个物种的序列比较分析

李利, 张红平, 吴登俊

四川农业大学动物科技学院 四川雅安 625014

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 利用牛、绵羊等动物FSH $\beta$ 亚基基因序列设计引物, 采用PCR法扩增并测定出20个山羊品种(16个本地品种和4个引进品种) FSH $\beta$ 亚基基因部分序列(GenBank登录号: AY838283和AY853276)。在测定出的FSH $\beta$ 亚基基因731bp序列中, 包括第1外显子全序列(1~61bp), 第1内含子全序列(62~702bp)以及第2外显子部分序列(703~731bp), 序列的A+T含量(66.07%)高于G+C(33.93%), 编码7个氨基酸。在所有测定的序列中共检出3个突变位点, 分别是78(-/A)、132(G/A)和343(G/A), 这些突变都位于内含子1序列中, 它们与产羔率之间的联系需进一步研究。利用山羊以及GenBank中其他8个物种的FSH $\beta$ 基因内含子1序列进行系统发育分析, 部分结果与传统生物分类不一致, 可能是由于大部分物种的序列长度不足700bp以及物种之间的关系超过了属阶元的限制。

**关键词** [山羊](#); [FSH \$\beta\$ 基因](#); [序列分析](#); [产羔率](#); [分子系统发育](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

李利

作者个人主页: [李利](#); [张红平](#); [吴登俊](#)

## 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(735KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“山羊; FSH \$\beta\$ 基因; 序列分析; 产羔率; 分子系统发育”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [李利](#)

· [张红平](#)

· [吴登俊](#)