

畜牧

*BoLA-DQB*基因上游调控区多态性研究

王 昆,孙东晓,徐如海,王志刚,张 沅

1. 中国农业大学动物科学技术学院, 北京 100094; 2. 农业部全国畜牧兽医总站畜禽牧草种质资源保存利用中心, 北京 100094

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 通过PCR扩增和克隆测序, 对*BoLA-DQB*基因上游调控区的多态性进行研究。对*BoLA-DQB*基因exon2的14种等位基因上游调控区序列进行同源比较, 结果表明: 每个DQB-exon2等位基因均与2种DQB-URR相连锁, 在14种*BoLA-DQB*-exon2等位基因上游共检测到15种DQB-URR序列。这些序列中均存在与基因表达调控有关的W box、X box、Y box、CCAAT box以及类TATA box调控元件, 且遵循严格的空间顺序。其中W box、X box、Y box及类TATA box是多态的, CCAAT box是保守的, 在这些调控元件之间也存在多态座位。这些多态座位的存在有可能对结构基因的表达水平产生影响。

关键词 [MHC](#); [BoLA-DQB基因](#); [URR](#); [多态性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 王 昆; 孙东晓; 徐如海; 王志刚; 张 沅

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (1294KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ 本刊中 包含“[MHC](#); [BoLA-DQB](#)基因; [URR](#); [多态性](#)”的 [相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王 昆](#)

· [孙东晓](#)

· [徐如海](#)

· [王志刚](#)

· [张 沅](#)