

## 遗传繁育

### 南江黄羊LH $\beta$ 基因序列测定及分析

李利,张红平,吴登俊

四川农业大学动物科技学院,雅安 625014

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 参照GenBank中发表的奶牛、绵羊和猪LH $\beta$ 基因序列设计引物,以35只南江黄羊为研究对象,利用PCR技术扩增并测定了山羊LH $\beta$ 基因部分序列(GenBank登录号:AY853264),并利用GenBank中不同物种LH $\beta$ 基因的部分编码区序列进行了系统发育分析。结果表明:在测定出的929bp序列中,包含LH $\beta$ 基因5'侧翼区(136bp)、2个内含子全序列(分别为297bp和235bp)、第1和第2外显子全序列(分别为26bp和168bp)以及第3外显子部分序列(67bp)。除第1外显子前11bp为5'非翻译区外,其余外显子序列共编码83个氨基酸,前20个氨基酸为信号肽序列。山羊LH $\beta$ 基因序列富含GC。在测定的35个个体中共检测到8个单碱基突变位点,位于外显子中的2个突变位点均为同义突变,其余6个突变位点位于5'侧翼区和内含子。系统发育分析结果与物种实际的演化顺序不完全相符,可能是由物种间LH $\beta$ 基因GC含量的较大差异引起。本研究首次报道了山羊LH $\beta$ 基因序列,为进一步探明山羊繁殖性能的遗传机理奠定了基础。

**关键词** [南江黄羊](#); [LH \$\beta\$ 基因](#); [核苷酸序列](#); [氨基酸](#); [系统发育分析](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: [李利](#); [张红平](#); [吴登俊](#)

## 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (865KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“南江黄羊; LH \$\beta\$ 基因; 核苷酸序列; 氨基酸; 系统发育分析”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [李利](#)
- [张红平](#)
- [吴登俊](#)