

研究简报

温氏附红细胞体16S rRNA基因的序列测定和分析

付 媛,李树清,杜 凯,刘 琴,周艳琴,刘恩勇,姚宝安,赵俊龙

1. 华中农业大学农业微生物学国家重点实验室, 武汉 430070; 2. 华中农业大学动物医学院, 武汉 430070;
3. 上海进出口检验检疫局, 上海 200135; 4. 湖北省兽疫防治站, 武汉 430064; 5. 浙江省农科院畜牧兽医研究所, 杭州 310021

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 从自然感染附红细胞体的湖北黄牛无菌采集血液, 分离附红细胞体并提取病原基因组, 用血营养菌的16S rRNA 基因的通用引物进行PCR扩增, 得到长约1.5 kb的扩增片段, 将其克隆到pMD18-T载体后进行测序和分析。结果表明该片段全长为1 471 bp (GenBank收录号为AY946266), 同源性分析表明该序列与Neimark公布的温氏附红细胞体(AF016546)的16S rRNA 基因序列同源性达到98.7%, 证实该病原为温氏附红细胞体, 从分子生物学水平证实了温氏附红细胞体在湖北省的存在。将该序列与5种支原体、14种血营养菌及边缘无浆体等的相应序列进行比较, 建立系统发育树, 结果表明温氏附红细胞体同边缘无浆体的关系较远, 而与肺炎支原体组的亲缘关系较近。

关键词 [温氏附红细胞体](#) [16S rRNA](#) [PCR: 序列分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 付 媛;李树清;杜 凯;刘 琴;周艳琴;刘恩勇;姚宝安;赵俊龙

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(1221KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“温氏附红细胞体”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [付 媛](#)
- [李树清](#)
- [杜 凯](#)
- [刘 琴](#)
- [周艳琴](#)
- [刘恩勇](#)
- [姚宝安](#)
- [赵俊龙](#)