

预防兽医

基于cox I 基因对猪囊尾蚴河南分离株种系发育关系的研究

赵光辉,张改平,宁长申,王选年,张龙现,菅复春,鲁琨

1. 河南农业大学牧医工程学院, 郑州 450002; 2. 河南省农业科学院河南免疫学重点实验室, 郑州450002; 3.河南科技学院动物科学学院, 新乡 453003

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用RT-PCR技术从河南部分地域的猪囊尾蚴中获得10个分离株的coxI部分基因序列, 其长度为344 bp; 将其克隆入pMD19-T并测序; 分别用Clustal X 1.81程序对序列进行比对, 然后用PAUP 4.0程序MP法和NJ法绘制种系发育树, 并用PUZZLE 5.2程序构建最大似然树; 同时利用WDANSIST 2.5程序和DNASTAR 5.0中的Megalign程序进行同源性分析。结果表明, 10个河南猪囊尾蚴分离株的coxI部分基因序列完全一致, 属于猪带绦虫亚洲基因型; 猪囊尾蚴coxI部分基因可有效区分出Asian和American/African两种基因型, 并可用于不同种带科绦虫的鉴别诊断。因此, 猪囊尾蚴coxI基因有望作为一种鉴别基因用于带科绦虫病和囊尾蚴病的PCR鉴别诊断。

关键词 [猪囊尾蚴](#); [cox I 基因](#); [种系发育关系](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: [赵光辉](#); [张改平](#); [宁长申](#); [王选年](#); [张龙现](#); [菅复春](#); [鲁琨](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (488KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“猪囊尾蚴; cox I 基因; 种系发育关系”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

- [赵光辉](#)
- [张改平](#)
- [宁长申](#)
- [王选年](#)
- [张龙现](#)
- [菅复春](#)
- [鲁琨](#)