

遗传繁育

部分中国黄牛BoLA-DRB₃基因序列分析

王昆¹, 张沅², 孙东晓²

1.河北省农林科学院粮油作物研究所, 石家庄 050031;

2.中国农业大学动物科技学院, 北京 100193

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 通过DNA测序, 分别对4个中国黄牛地方品种的MHC-II类基因DRB3 外显子2的多态性进行分析。通过序列比对, 共检测到DRB₃*exon2等位基因259种, 其中新等位基因131个。等位基因的分布具有品种特异性。各等位基因之间存在大量多态位点, 统计分析表明: 发生非同义替换的多态位点均主要分布在抗原结合位点对应的编码序列中, 共有17个变异位点的氨基酸组成在品种间具有显著差异, 其中7个位点差异显著 (P<0.05); 10个位点差异极显著 (P<0.01)。在变异位点中, 有8个位点为抗原结合位点。

关键词 [中国黄牛](#); [BoLA-DRB3外显子2](#); [等位基因](#); [序列测定](#); [多态性](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

王昆

作者个人主页:

王昆¹; 张沅²; 孙东晓²

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(338KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献 \[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“中国黄牛; BoLA-DRB3外显子2; 等位基因; 序列测定; 多态性” 的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王昆](#)

· [张沅](#)

· [孙东晓](#)