

生物多样性

用RAPD标记分析不同居群半夏的遗传多样性

刘波,王荔^{**},陈疏影,杨艳琼,和世平,占燕

云南农业大学农学与生物技术学院, 云南 昆明 650201

收稿日期 2008-7-28 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以我国15个省区23个不同居群半夏为研究对象,探讨了半夏在分子水平上的遗传多样性。研究结果表明:在24条引物中筛选出4条引物,经过PCR扩增共得到32条扩增带,其中28条表现为多态性条带,多态性变异率为87.4%。在23组不同材料之间多态性变异率最高的是I组的DNA,为73.7%;最低的是L₁组的DNA,变异率为18.2%;平均为44.0%。不论是居群间还是居群内,变异程度都较大。

关键词 [半夏](#); [遗传多样性](#); [RAPD](#); [聚类分析](#)

分类号 [S 567.239.032](#)

DOI:

通讯作者:

Wanqli5820840@yahoo.com.cn

作者个人主页: 刘波;王荔^{**};陈疏影;杨艳琼;和世平;占燕

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDE\(1021KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(OKB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“半夏;遗传多样性;RAPD;聚类分析”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [刘波](#)

· [王荔](#)

· [陈疏影](#)

· [杨艳琼](#)

· [和世平](#)

· [占燕](#)