

【作者】	黄勤华, 刘若余, 吴芸, 王兴群
【单位】	贵州大学动物科学院, 贵州贵阳
【卷号】	36
【发表年份】	2008
【发表刊期】	26
【发表页码】	11240-11241, 11271
【关键字】	贵州; 山羊; 线粒DNA; 细胞色素b; 遗传多样性
【摘要】	<p>[目的] 研究分析了贵州黑山羊mtDNA Cytb基因的遗传多样性, 为贵州黑山羊遗传资源的保护、开发及利用奠定分子遗传学方面的基础。[方法] 测定贵州黑山羊品种16个个体的细胞色素b基因全序列, 分析其碱基组成和序列间碱基的变异。[结果] 在该品种(群体)中观察到6次T-C间发生碱基转换, 其中有5个碱基替换发生在密码子第3位点, 有1个碱基替换发生在密码子第1位点, 且所有的变异均为同义突变; 观察到4种单倍型。单倍型多样性(H)为0.442, 核苷酸多样性(π值)为0.145%+0.159%。以绵羊为外群构建分子系统发生树, 结果初步提示, 贵州黑山羊有两个母系起源, 其中支系A占81.25%(13/16), 支系B占18.75%(3/16)。[结论] 贵州黑山羊有两个母系起源(支系A和支系B), 且该品种线粒体DNA多态度较为贫乏。</p>
【附件】	 PDF下载 <input type="button" value="PDF阅读器下载"/>

关闭