

遗传繁育

甘肃地方绵羊品种mtDNA D 环序列遗传多样性与起源分析

成述儒^{1, 2}, 罗玉柱^{1, 2*}, 韩建林^{1, 3}, Olivier Hanotte³

1. 甘肃农业大学动物科技学院, 兰州 730070; 2. 甘肃农业大学研究测试中心, 兰州 730070; 3. 国际家畜研究所, 肯尼亚 内罗毕 00100)

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 为了研究甘肃地方绵羊品种mtDNA D 环序列遗传多样性与起源, 利用设计的1对引物对绵羊mtDNA D 环序列进行PCR扩增和纯化测序。对序列数据进行单倍型、遗传多样性、系统发育树和网络关系分析。分析结果显示: 120只绵羊mtDNA D 环序列(部分)表现出2种长度变异, 其中3个序列长度为573 bp, 117个序列长度为648 bp。对117个长度为648 bp的序列进行分析, 发现77个单倍型。单倍型比例、单倍型多样性、核苷酸多样性和平均核苷酸差异数在蒙古羊都较高, 而在兰州大尾羊和岷县黑裘皮羊都较低。系统发育树和网络关系分析均将77个单倍型明显的分为3个分支。研究认为: 含有4个重复单元(75 bp)是甘肃地方绵羊品种mtDNA D 环的序列特征, 在甘肃6个地方绵羊品种中, 蒙古羊的遗传多样性最丰富, 兰州大尾羊和岷县黑裘皮羊遗传多样性最低。系统发育和网络关系分析认为甘肃6个地方绵羊品种有3个母系起源。

关键词 [mtDNA D 环](#); [遗传多样性](#); [起源](#); [系统发育](#); [绵羊](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

罗玉柱 yzluo@public.lz.gs.cn

作者个人主页: 成述儒^{1;2}; 罗玉柱^{1;2*}; 韩建林^{1;3}; Olivier Hanotte³

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(1710KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“mtDNA D 环; 遗传多样性; 起源; 系统发育; 绵羊”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [成述儒](#)

·

· [罗玉柱](#)

·

· [韩建林](#)

·

·