

研究简报

19个猪种SLA DQB基因外显子2多态性分析

包文斌¹, 吴圣龙^{1*}, 曹晶晶¹, 鞠慧萍¹, 朱国强², 陈国宏¹

1. 扬州大学动物科学与技术学院, 扬州 225009; 2. 扬州大学兽医学院, 扬州 225009

收稿日期 2008-9-25 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要

本研究旨在系统分析国内外猪种SLA DQB基因的多态性, 以期为进一步研究猪SLA DQB与疾病抗性的相关性提供理论依据。采用PCR RFLP方法, 野猪、14个中国地方猪种和4个引进猪种SLA DQB基因第2外显子经限制性内切酶HaeIII酶切后, 共检测到5个等位基因, 9种基因型。其中野猪中仅存在A、B 2种等位基因; 家猪群体中出现了野猪群体中所没有的6种基因型和3种等位基因。中国地方猪种与引进猪种相比, RFLP带型较为丰富, 五指山猪和淮猪中具有8种基因型, 多态性最为丰富。除野猪群体中A等位基因为优势等位基因外, 其它所有家猪群体中均以B和C基因为优势等位基因; 临高猪中出现其它猪种所没有的D等位基因, 表现出独特的特性。本研究结果提示, 生态环境和遗传纯度均可能影响SLA DQB等位基因的多样性, 总体上, 引进猪种、培育猪种和地方猪种SLA DQB基因外显子2的基因型分布并不存在明显的差异, 但PCR RFLP带型在具体的品种之间的差别较大。

关键词

[SLA DQB基因](#); [野猪](#); [地方猪种](#); [引进猪种](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

吴圣龙 slwu@yzu.edu.cn

作者个人主页: [包文斌¹](#); [吴圣龙^{1*}](#); [曹晶晶¹](#); [鞠慧萍¹](#); [朱国强²](#); [陈国宏¹](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(485KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含 “](#)

[SLA DQB基因; 野猪; 地方猪种; 引进猪种](#)

[” 的相关文章](#)

▶ [本文作者相关文章](#)

· [包文斌](#)

· [吴圣龙](#)

· [曹晶晶](#)

· [鞠慧萍](#)

· [朱国强](#)

· [陈国宏](#)