

研究简报

猪链球菌种及其主要致病血清型多重PCR检测方法的建立

王花茹^{1,2,3}, 王长军¹, 唐家琪^{1,2*}, 陆承平², 潘秀珍¹, 郭恒彬¹

1.南京军区军事医学研究所, 南京 210002; 2.南京农业大学动物医学院,南京 210095; 3.山东省潍坊市畜牧局, 潍坊 261061

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 根据猪链球菌谷氨酸脱氢酶基因和血清型1型、2型、1/2型、7型、9型和14型的荚膜多糖编码基因核酸序列, 分别设计猪链球菌种和血清型特异性引物, 建立并优化多重PCR检测方法, 检测分析种属背景明确的73株菌株(其中猪链球菌49株、其他对照菌株24株)及临床分离样本94株(包括四川资阳临床分离样本45株)。其中73株种属背景明确菌株多重PCR种检测结果符合率为87.5%, 6种主要致病血清型检出率可达100%。24株对照菌株在种和血清型检测均为阴性。对45株四川猪链球菌病暴发现场分离菌株进行检测, 其中41株为猪链球菌2型。上述结果提示建立的多重PCR方法对猪链球菌种及主要致病血清型的检测具有较好的特异性和敏感性, 可用于猪链球菌病的快速诊断和流行病学调查。

关键词 [猪链球菌](#); [血清型](#); [荚膜多糖](#); [谷氨酸脱氢酶](#); [多重PCR](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

唐家琪 tjq85@hotmail.com

作者个人主页: 王花茹^{1;2;3};王长军¹;唐家琪^{1;2*};陆承平²;潘秀珍¹;郭恒彬¹

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(482KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“猪链球菌; 血清型; 荚膜多糖; 谷氨酸脱氢酶; 多重PCR”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王花茹](#)

·

· [王长军](#)

· [唐家琪](#)

·

· [陆承平](#)

· [潘秀珍](#)

· [郭恒彬](#)