

动物营养

禽源结肠弯曲杆菌的耐药性分析与MLST分型

王新^{1*}, 周婷², 孟江洪¹

1. 西北农林科技大学食品学院, 杨凌 712100; 2. 西北农林科技大学动物医学院, 杨凌 712100

收稿日期 2009-8-23 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 为了解禽肉结肠弯曲杆菌的耐药表型和分子型, 采用琼脂平板稀释法和多位点序列分型(Multilocus Sequence Typing, MLST)技术分别对54株禽肉结肠弯曲杆菌进行耐药性及分子分型研究。耐药性试验结果得到单重耐药菌株有41株(75.9%), 分别是对环丙沙星耐药有9株(16.7%)、对强力霉素耐药有23株(42.6%)和对红霉素耐药有9株(16.7%); 多重耐药菌株有10株(18.5%), 其中4株(7.4%)对环丙沙星和强力霉素耐药, 1株(1.9%)对环丙沙星和红霉素耐药, 4株(7.4%)对红霉素和强力霉素耐药, 1株(1.9%)对环丙沙星、红霉素和强力霉素耐药; 所有菌株对硫酸庆大霉素敏感。MLST得到了38个(含1个新的)等位基因(allele); 26个(含8个新的)序列型(Sequence type, ST); 2个已知序列型克隆系(ST clonal complexes), ST 828克隆系(45株, 83.3%)和ST 1150克隆系(3株, 5.6%), 以及5个(6株, 11.1%)没有序列型克隆系。耐药性与序列型和序列克隆系相关性比较, 相关性不大。结果提示, 禽肉结肠弯曲杆菌出现了环丙沙星、红霉素和强力霉素的单重及多重耐药菌株; 禽肉中结肠弯曲杆菌主要流行ST 828克隆系; 耐药性与序列型及序列克隆系相关性差, 揭示耐药菌株来源广泛。

关键词 [结肠弯曲杆菌](#); [耐药性](#); [多位点序列分型](#); [基因型](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

王新 xinwang7516@yahoo.com.cn

作者个人主页: 王新^{1*}; 周婷²; 孟江洪¹

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#)(994KB)

▶ [\[HTML全文\]](#)(0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“结肠弯曲杆菌; 耐药性; 多位点序列分型; 基因型”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [王新](#)

· [周婷](#)

· [孟江洪](#)