

无栏目

长白-蓝塘猪资源群第6号染色体的QTL检测

李加琪 等

@李加琪\$华南农业大学动物科学学院!广州510642 @张豪\$华南农业大学动物科学学院!广州510642 @刘小红\$广东省畜牧技术推广总站!广州510500 @高萍\$华南农业大学动物科学学院!广州510642 @王翀\$华南农业大学动物科学学院!广州510642 @吴秋豪\$广东省畜牧技术推广总站!广州510500 @张细权\$华南农业大学动物科学学院!广州510642 @陈瑶生\$华南农业大学动物科学学院!广州510642

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 以国外猪种长白猪和华南地区优良地方猪种蓝塘猪为亲本,建立了用于QTL定位研究的F2 资源群。应用6号染色体上的7个微卫星遗传标记和USDA MARC 2.6公、母猪平均遗传连锁图谱,采用区间定位方法进行基因组扫描。结果表明,在38~41cM间发现影响猪胴体A点膘厚的QTL,达到染色体极显著水平($P < 0.01$),该QTL与MNO 07标记紧密连锁,其加性方差解释F2表型方差的比例为5.90%。60~65cM间发现影响猪胴体瘦肉率的QTL,达到染色体极显著水平

关键词 [猪](#) [QTL定位](#) [资源群](#) [微卫星DNA](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 李加琪 等

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (351KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“猪”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [李加琪 等](#)