

畜牧

抑制性消减杂交构建奶牛乳房炎抗性相关cDNA文库

曹随忠,李宏滨,王爱华, 赵兴绪,杜立新

1.甘肃农业大学动物医学院,兰州 730070; 2.中国农业科学院畜牧研究所,北京 100094

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 以经产荷斯坦奶牛外周血白细胞为材料,分离Poly(A)<sup>+</sup> RNA,反转录合成单链及双链cDNA,经酶切成平均大小为400~600 bp的片段,将患乳房炎奶牛cDNA分成2组,分别与2种不同的接头连接,再与健康奶牛cDNA进行2次消减杂交和2次抑制性PCR扩增,将第2次PCR产物与pGEM-T载体连接,转化大肠杆菌TOP10感受态细胞进行文库扩增,构建了具有高消减效率的奶牛乳房炎抗性相关cDNA文库。文库扩增后得到610个白色阳性克隆,随机挑选克隆进行PCR鉴定,插入片段主要分布在250~750 bp之间。文库的成功构建为进一步筛选、克隆与奶牛乳房炎抗性相关的基因奠定了基础,对研究奶牛乳房炎抗性的分子机制以及乳房炎的综合防制具有重要意义。

**关键词** [奶牛](#); [乳房炎](#); [抗性](#); [抑制性消减杂交](#); [文库](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: [曹随忠](#); [李宏滨](#); [王爱华](#); [赵兴绪](#); [杜立新](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(1536KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“奶牛; 乳房炎; 抗性; 抑制性消减杂交; 文库”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [曹随忠](#)

· [李宏滨](#)

· [王爱华](#)

· [赵兴绪](#)

· [杜立新](#)