

无栏目

猪瘟流行野毒E~(rns)基因的序列分析

刘湘涛 中国农业科学院兰州兽医研

刘湘涛 中国农业科学院兰州兽医研究所 兰州730046
韩雪清 中国农业科学院兰州兽医研究所 兰州730046
刘伯华 西北农林科技大学
赵启祖 中国农业科学院兰州兽医研究所 兰州730046
李明晖 西北农林科技大学
马军武 中国农业科学院兰州兽医研究所 兰州730046
李建强 中国农业科学院兰州兽医研究所 兰州730046
谢庆阁 中国农业科学院兰州兽医研究所 兰州730046¹
猪瘟病毒²

E~(rns)基因³

序列分析⁴

利用反转录 (RT)和 PCR技术完成了 5株近期 (1997~1998年)猪瘟流行毒和 1株猪瘟 C-株弱毒疫苗毒 (兰州) Erns(或称 EO)基因的核酸序列测定。通过序列分析发现,这 5株流行毒与 C-株疫苗毒的核酸序列同源性为 83%~84%⁵

推导的氨基酸序列同源性为 88%~91%,我国 50~60年代流行的中国石门株 (SM)的核酸序列同源性为 85%⁶

氨基酸序列同源性为 89%~91%。而 5株流行毒间的核酸序列同源性为 91%~98%⁷

氨基酸序列同源性为 2000⁸

33⁹

4¹⁰

82¹¹

9¹²

90¹³

2000-33-4-82-90¹⁴

一氧化氮与寄生虫感染的关系¹⁵

申兆菊 中国农业大学动物医学院 北京100094

蒋金书 中国农业大学动物医学院 北京100094

朱蓓蕾 中国农业大学动物医学院 北京100094¹⁶

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 一氧化氮 (NO)是一种含自由基的气体,化学性质非常活泼。现已证实 NO能在动物机体的许多组织中合成。在机体内,NO的作用广泛,它不但参与调节血管平滑肌松弛、血小板聚集以及信号转导,而且还是机体免疫系统的调节分子和效应分子,在微生物和寄生虫感染以及宿主免疫过程中发挥着一定的作用。本文综述了 NO在吸虫、疟原虫、弓形虫、艾美耳球虫等寄生虫感染过程中的生成、作用以及可能的机制

关键词 [一氧化氮](#), [寄生虫](#), [吸虫](#), [疟原虫](#), [弓形虫](#), [艾美耳球虫](#)

分类号 [81](#)

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:

刘湘涛 中国农业科学院兰州兽医研

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (OKB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (OKB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“一氧化氮,寄生虫,吸虫,疟原虫,弓形虫,艾美耳球虫”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

[刘湘涛 中国农业科学院兰州兽医研](#)