

## 实验室概况

- ▶ 实验室简介
- ▶ 学术委员会
- ▶ 历任主任
- ▶ 现任主任
- ▶ 组织机构
- ▶ 主任致辞

当前位置 &gt;&gt; 加拿大公共卫生署 (PHAC) 梁滨华博士应

## 加拿大公共卫生署 (PHAC) 梁滨华博士应邀 来我室进行学术交流

应我室草食动物病毒病创新团队张志东研究员的邀请，加拿大公共卫生署 (PHAC) 梁滨华博士于2014年5月19日来我室进行学术交流。梁滨华博士是加拿大公共卫生署 (PHAC) 国家微生物学实验室 (NML) 病毒生物信息学主任，加拿大Manitoba大学医学微生物学兼职教授，一直致力于第二代测序技术 (next-generation sequencing, NGS) 的应用和数据分析，在RNA-seq和Microarray数据分析、艾滋病和流感病毒进化规律演讲和艾滋病病毒抗药性检测方面颇有建树，发表SCI论文30余篇。

5月19日上午，梁滨华博士参观了草食动物病毒病创新团队实验室，并与团队成员进行了座谈。首先我所张强博士对草食动物病毒病创新团队组成及目前研究方向做了介绍，梁滨华博士也对他目前从事的工作进行了简单介绍，然后双方对各自感兴趣的问题进行了深入探讨，并对下一步进行科研合作和人员交流做了初步设想。

5月19日下午，在我室综合楼五楼会议室，由罗建勋副所长主持，梁滨华博士做了题为“An automated analysis pipeline system for next-generation sequencing-based virus drug resistance testing”的专题演讲，受到了我室科研人员的热列欢迎。梁博士首先就测序技术的发展革新做了系统的阐述，介绍了第二代测序技术 (next-generation sequencing, NGS) 的原理和技术特点，并对NGS与第一代测序技术和第三代测序技术进行了比较，就其各自优缺点和应用范围详尽阐述，并以艾滋病病毒的抗药性检测为例，对NGS的应用进行了详细说明。演讲持续了约1个半小时，他渊博的知识、细致的工作、清晰的科研思路，获得了研究所科研工作者的一致好评。演讲结束后他还与大家就感兴趣的问题进行了热烈的现场交流。



草食动物病毒病创新团队  
2014年5月22日

版权信息：本站所有权利归中国农业科学院兰州兽医研究所所有

网站维护：本站由兰州中林智能科技有限公司维护