

## 研究简报

### 贵州省猪繁殖与呼吸综合征病毒ORF5基因的变异分析

汤德元<sup>1\*</sup>, 赵启祖<sup>2\*</sup>, 李春燕<sup>1</sup>, 刘霞<sup>1</sup>, 邹兴启<sup>2</sup>, 范运峰<sup>2</sup>, 曾智勇<sup>1</sup>, 朱永兴<sup>1</sup>

1. 贵州大学动物科学学院, 贵阳 550025; 2. 中国兽医药品监察所, 北京 100081

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 为了调查猪繁殖与呼吸综合征病毒ORF5基因的变异情况, 笔者收集了贵州省16家规模化养殖场153份疑似PRRS的样品, 通过RT-PCR检测和ORF5基因序列的测定, 结果表明: 所有样品之间ORF5基因的同源性为98.7%~100%, 氨基酸的同源性为98.5%~100%; 与美洲型代表毒株VR-2332、国内标准毒株CH-1a和欧洲型代表毒株LV基因序列的同源性分别为89.2%~90%、94.8%~95.6%、59.7%~60.2%, 氨基酸序列同源性分别为88.8%~89.3%、92.7%~94.2%、54.9%~55.3%, 遗传衍化关系分析表明流行毒株属于美洲型。ORF5基因发生离散性变异, 可以分为3个簇, 与中国其他地区分离的高致病性PRRS病毒关系密切, 而与早期分离的PRRS毒株关系疏远, 说明猪繁殖与呼吸综合征病毒ORF5基因存在变异现象。

**关键词** [猪繁殖与呼吸综合征](#); [ORF5基因](#); [变异分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

汤德元, 赵启祖 [zhaogizu@ivdc.gov.cn](mailto:zhaogizu@ivdc.gov.cn)

作者个人主页: 汤德元<sup>1\*</sup>; 赵启祖<sup>2\*</sup>; 李春燕<sup>1</sup>; 刘霞<sup>1</sup>; 邹兴启<sup>2</sup>; 范运峰<sup>2</sup>; 曾智勇<sup>1</sup>; 朱永兴<sup>1</sup>

## 扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (886KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“猪繁殖与呼吸综合征; ORF5基因; 变异分析”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [汤德元](#)

· [赵启祖](#)

· [李春燕](#)

· [刘霞](#)

· [邹兴启](#)

· [范运峰](#)

· [曾智勇](#)

· [朱永兴](#)