

研究简报

贵州省猪繁殖与呼吸综合征病毒ORF5基因的变异分析

汤德元^{1*}, 赵启祖^{2*}, 李春燕¹, 刘霞¹, 邹兴启², 范运峰², 曾智勇¹, 朱永兴¹

1. 贵州大学动物科学学院, 贵阳 550025; 2. 中国兽医药品监察所, 北京 100081

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 为了调查猪繁殖与呼吸综合征病毒ORF5基因的变异情况, 笔者收集了贵州省16家规模化养殖场153份疑似PRRS的样品, 通过RT-PCR检测和ORF5基因序列的测定, 结果表明: 所有样品之间ORF5基因的同源性为98.7%~100%, 氨基酸的同源性为98.5%~100%; 与美洲型代表毒株VR-2332、国内标准毒株CH-1a和欧洲型代表毒株LV基因序列的同源性分别为89.2%~90%、94.8%~95.6%、59.7%~60.2%, 氨基酸序列同源性分别为88.8%~89.3%、92.7%~94.2%、54.9%~55.3%, 遗传衍化关系分析表明流行毒株属于美洲型。ORF5基因发生离散性变异, 可以分为3个簇, 与中国其他地区分离的高致病性PRRS病毒关系密切, 而与早期分离的PRRS毒株关系疏远, 说明猪繁殖与呼吸综合征病毒ORF5基因存在变异现象。

关键词 [猪繁殖与呼吸综合征](#); [ORF5基因](#); [变异分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

汤德元, 赵启祖 zhaogizu@ivdc.gov.cn

作者个人主页: 汤德元^{1*}; 赵启祖^{2*}; 李春燕¹; 刘霞¹; 邹兴启²; 范运峰²; 曾智勇¹; 朱永兴¹

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(886KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中包含“猪繁殖与呼吸综合征; ORF5基因; 变异分析”的相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章

- [汤德元](#)
- [赵启祖](#)
- [李春燕](#)
- [刘霞](#)
- [邹兴启](#)
- [范运峰](#)
- [曾智勇](#)
- [朱永兴](#)