

无栏目

猪瘟流行野毒E~(rns)基因的序列分析

刘湘涛,韩雪清,刘伯华,赵启祖,李明晖,马军武,李建强,谢庆阁

中国农业科学院兰州兽医研究所!兰州730046

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 利用反转录 (RT)和 PCR技术完成了 5株近期 (1997~1998年)猪瘟流行毒和 1株猪瘟 C-株弱毒疫苗毒 (兰州) Erns(或称 E0)基因的核酸序列测定。通过序列分析发现,这 5株流行毒与 C-株疫苗毒的核酸序列同源性的 83%~84%;推导的氨基酸序列同源性的 88%~91%,我国 50~60年代流行的中国石门株 (SM)的核酸序列同源性的 85%;氨基酸序列同源性的 89%~91%。而 5株流行毒间的核酸序列同源性的 91%~98%;氨基酸序列同源性的 94%~98%。

关键词 [猪瘟病毒](#) [E~\(rns\)基因](#) [序列分析](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页: 刘湘涛;韩雪清;刘伯华;赵启祖;李明晖;马军武;李建强;谢庆阁

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (259KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“猪瘟病毒”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [刘湘涛](#)

· [韩雪清](#)

· [刘伯华](#)

· [赵启祖](#)

· [李明晖](#)

· [马军武](#)

· [李建强](#)

· [谢庆阁](#)