

兽医

青海血蜱cDNA表达文库的构建

高金亮,关贵全,马米玲,刘志杰,党志胜,刘爱红,李文卉,任巧云,罗建勋,殷宏

中国农业科学院兰州兽医研究所,兰州 730046

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 在无RNA酶污染的环境下摘取半饱血青海血蜱唾液腺、马氏管和卵巢等器官,从中提取RNA,进而纯化mRNA,采用oligo(dT)引物合成双链cDNA,并在其两端加EcoR I /HindIII定向接头。将所产生的cDNA分子定向克隆到具有EcoR I /HindIII黏性末端的λSCREEN载体的两臂之间。用PhageMaker extract对以上连接产物进行体外包装以形成完整的噬菌体,并用之转染大肠杆菌ER1647,从而构建青海血蜱的cDNA表达文库。经测定,所构建青海血蜱cDNA文库的库容量约为 2×10^6 PFU/mL,重组率为100%,扩增后文库的滴度为 8×10^9 PFU/mL。通过对该文库的免疫学筛选,获得一个编码青海血蜱肌球蛋白碱性轻链的全长cDNA序列。所有结果显示,青海血蜱cDNA表达文库已成功构建。

关键词 [青海血蜱; cDNA表达文库; 构建](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

作者个人主页:高金亮;关贵全;马米玲;刘志杰;党志胜;刘爱红;李文卉;任巧云;罗建勋;殷宏

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(1662KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中包含“青海血蜱; cDNA表达文库; 构建”的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [高金亮](#)

· [关贵全](#)

· [马米玲](#)

· [刘志杰](#)

· [党志胜](#)

· [刘爱红](#)

· [李文卉](#)

· [任巧云](#)

· [罗建勋](#)

· [殷宏](#)