



## : 论文摘要 :

[返回](#)

昆虫学报, undefined 年, undefined 月, 第 undefined 卷, 第 undefined 期, undefined - undefined 页

题目: 日本沼虾3群体线粒体16S rRNA基因片段序列的差异与系统进化

作者: 孙悦娜 冯建彬 李家乐\* 聂式忠

上海水产大学农业部水产种质资源与养殖生态重点开放实验室

摘要: 通过对日本沼虾 (*Macrobrachium nipponense*) 3个群体线粒体DNA 16S rRNA基因片段进行扩增和测定, 得到长度为495 bp的片段, 其碱基A、T、G和C的平均含量分别为 28.6%、36.1%、22.7%和 12.5%, AT含量明显高于GC含量。通过对日本沼虾16S rRNA基因片段遗传特征的研究发现其种内变异很小, 在3个群体中只有5个位点发生转换。另外, 利用其454 bp的同源序列, 以中国明对虾 (*Fenneropenaeus chinensis*) 为外群探讨了沼虾属日本沼虾、罗氏沼虾 (*M. rosenbergii*) 等8种沼虾的系统进化关系。用MEGA 3.1软件中的NJ法构建的分子进化树, 日本沼虾3个群体先聚在一起后与海南沼虾聚在一起; 另外, 罗氏沼虾与马氏沼虾、短腕沼虾与贪食沼虾亲缘关系较近先聚在一起, 然后再与大臂沼虾和等齿沼虾聚在一起, 最后才与外群中国明对虾聚在一起。

关键词: 日本沼虾; 16S rRNA基因; 系统进化; 沼虾属

通讯作者: 李家乐 (E-mail: [jlli@shfu.edu.cn](mailto:jlli@shfu.edu.cn)).

这篇文章摘要已经被浏览 13 次, 全文被下载 0 次。

您是第: **351784** 位访问者

《昆虫学报》编辑部

地 址: 北京北四环西路25号, 中国科学院动物研究所

邮 编: 100080

电 话: 010-82872092

传 真: 010-62569682

E-mail: [kxcb@ioz.ac.cn](mailto:kxcb@ioz.ac.cn)

网 址: <http://www.insect.org.cn>