

黄海和东海小黄鱼遗传多样性的RAPD分析

蒙子宁,庄志猛,金显仕,唐启升,苏永全

1 (农业部海洋渔业资源可持续利用重点开放实验室, 黄海水产研究所, 青岛 266071)

2 (厦门大学海洋系, 厦门 361005)

收稿日期 2002-12-2 修回日期 2003-1-22 网络版发布日期 接受日期

摘要 小黄鱼 (*Pseudosciaena polyactis*) 是我国近海重要经济鱼类之一。本文分析了采自黄海和东海5个海区共计48个个体小黄鱼的随机扩增DNA多态性 (RAPD)。从40个10 bp引物中选取20个用于群体遗传多样性分析, 共检测出145个位点, 其中132个 (91.03%) 显多态性。用Shannon多样性指数量化的平均遗传多态度为1.93 (1.50~2.44), 群体内和群体间的遗传变异比例分别为69%和31%; 群体间的平均遗传相似度和遗传距离分别为0.9139和0.0861。用非加权配对算数平均法 (UPGMA) 聚类分析的结果表明, 所分析的5个群体可分为3个地理群系, 从分子水平上支持了过去有关学者把黄海和东海的小黄鱼划分为北、中、南3个地理群系的观点。

关键词 [小黄鱼](#) [遗传变异](#) [地理群系](#) [RAPD](#)

分类号

DOI:

通讯作者:

庄志猛 Zhuangzm@ysfri.ac.cn

作者个人主页: [蒙子宁](#); [庄志猛](#); [金显仕](#); [唐启升](#); [苏永全](#)

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF](#) (307KB)

▶ [\[HTML全文\]](#) (0KB)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“小黄鱼”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [蒙子宁](#)

· [庄志猛](#)

· [金显仕](#)

· [唐启升](#)

· [苏永全](#)