

实验研究报告

临床常见产ampC β -内酰胺酶菌株中染色质ampD基因突变位点的研究

赵虎¹, 王寅², 涂婉¹, 方毅¹, 庞立峰¹

¹复旦大学附属华东医院检验科, 上海, 200040; ²浙江中医药大学附属新华医院检验科, 杭州, 310005

收稿日期 2008-11-17 修回日期

网络版发布日期 接受日期

摘要

目的 了解临床常见产ampC β -内酰胺酶菌株中染色体ampD的分布及其突变位点。方法 41株临床常见产ampC β -内酰胺酶菌株（阴沟肠杆菌，肺炎克雷伯菌，鲍曼不动杆菌，铜绿假单胞菌）分离自医院感染样本，抽提其染色质DNA，PCR法扩增ampD基因并连接入pMD19-T载体后，再行PCR确定其存在。双链测序后比对染色体ampD基因的突变位点。结果 41株细菌的基因组中，使用PCR法扩增出染色体ampD基因有36株，并成功测定了其ampD基因的序列；比对后发现阴沟肠杆菌、肺炎克雷伯菌、鲍曼不动杆菌和铜绿假单胞菌的染色体ampD基因的核苷酸序列差异较大。染色质ampD易突变位点分析统计表明，这些细菌的ampD基因的平均突变率分别为64.5%、100.0%、97.0%和95.0%。结论 大部分临床常见产ampC β -内酰胺酶菌株含有ampD

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF\(961KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

▶ [参考文献\[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含 “ampC \$\beta\$ -内酰胺酶; ampD; 突变; PCR” 的相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [赵虎, 王寅, 涂婉, 方毅, 庞立峰](#)

