

## p16基因甲基化状态与散发性大肠癌的相关性研究

杨玉华, 何小兵, 张锋锐, 张建琼, 谢维

东南大学医学院遗传学研究中心;病理与病理生理学系;南京 210009

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

**摘要** 为探讨p16基因甲基化状态与散发性大肠癌发生发展的关系,用甲基化特异性的聚合酶链反应(methylation specific PCR, MSP)结合测序检测散发性大肠癌及相应癌旁组织p16基因甲基化状态。研究发现p16基因在散发性大肠癌中甲基化率为28.9%(13/45),有8例癌及癌旁组织都发生了甲基化;有淋巴结及远处转移的甲基化率为50%(8/16),高于无转移的甲基化率20.8(5/24)( $P < 0.05$ )。p16基因高甲基化是散发性大肠癌中常见的分子改变之一,大肠癌中p16基因高甲基化可能发生在癌变早期并与大肠癌的恶性进展有相关性。

**关键词** [散发性大肠癌](#) [p16抑癌基因](#) [甲基化](#) [MSP](#) [测序](#)

分类号

Genetics Research Center;Medical School;Southeast University;Nanjing 210009;China

### Abstract

**Key words** [sporadic colorectal cancer](#) [p16](#) [DNA methylation](#) [MSP](#) [sequencing](#)

DOI:

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(182KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中 包含“散发性大肠癌”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)

- [杨玉华](#)
- [何小兵](#)
- [张锋锐](#)
- [张建琼](#)
- [谢维](#)