

mRNA选择性剪接与人类疾病

倪斌; 李麓芸

倪斌 (410005,长沙,湖南省计划生育研究所省现代优生技术重点实验室)

李麓芸 (410078,长沙,中南大学生殖与干细胞工程研究所)

收稿日期 2005-5-8 修回日期 网络版发布日期: 2006-5-22

摘要 mRNA前体选择性剪接在人类基因组中广泛存在,是增加蛋白质多样性与基因表达复杂程度的主要原因.它受到许多顺式作用元件与反式作用因子的调控.当这些调控机制遭到破坏时便会出现不正常的选择性剪接,其结果是导致某些遗传病与肿瘤.大规模分析选择性剪接的方法可以利用EST数据库进行生物信息学研究,但采用基因芯片的策略将更为有效.

关键词 [mRNA](#) [选择性剪接](#) [遗传性疾病](#) [肿瘤](#)

分类号

Abstract

Key words

DOI

通讯作者

李麓芸

liluyun1@ahoo.com.cn

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(551KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0KB\)](#)

参考文献

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [复制索引](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“mRNA”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [倪斌](#)
 - [李麓芸](#)