



- ☰ [头条新闻](#)
- ☰ [综合新闻](#)
- ☰ [学术活动](#)
- ☰ [科研动态](#)
- ☰ [传媒扫描](#)

计算生物与医学生态学学科组将有三部专（译）著出版

2014-11-12 | 作者: | 来源: 计算生物与医学生态学学科组 | 【小中大】 【打印】 【关闭】

由遗传资源与进化国家重点实验室马占山研究员主编的《生物信息学技术和软件导论》获得 2014 年“国家科学技术学术著作出版基金”资助。评审专家组给出了较高的评价，三位盲评专家的评语分别是：“这是一本有新意的生物信息学书籍，信息量较丰富，也有新意”（评审1）；“学术水平较高，应用价值较高，结构上有一定的创新，内容上比较新，这一点上要优于国内现有的同类专著”（评审2）；“马占山教授主编的《生物信息学计算技术和软件导论》，既涵盖了生物信息学的计算和数学基础，又包括了目前和将来生物信息学在生物学研究中的各项应用技术，其语言生动简练，在生物信息学领域应可成为一流的学术专著，其出版价值明显。”（评审3）。该书将由科学出版社于2015年夏季出版。

《导论》全书分为三大篇总共20章。第一篇“计算科学背景（基础篇）”包括算法、编程、数学建模、统计数据分析、数据库技术、高性能GPU计算、云计算、计算智能、机器学习、高维大数据处理技术等计算科学的热点领域。第二篇“组学(-Omics)技术的生物信息学”包括单分子测序、单细胞测序、基因组组装算法和软件、宏基因组分析流程、转录组、蛋白质组学、代谢组学等研究的生物信息学分析方法和软件。第三篇“生物信息学应用技术”涵盖系统发育树、网络分析技术、癌症基因组学、宏基因组与医学生态学、分子生态学、生态基因组学、生态信息学、表观遗传学、微阵列数据分析、新药物发现和设计等领域中的计算生物信息学技术。计算生物与医学生态学实验室全体人员都作出了辛勤的努力。其中已毕业的研究生关琮完成了“国家科学技术学术著作出版基金”的申报材料，为获得基金资助作出了重要贡献。李连伟为第二部分、王娅丽为第三部分的撰写和组稿分别作出了重要贡献。

马占山研究员所著的“Towards a Unified Theory for Reliability, Survivability and Resilience of Complex Networks”也将于2015年夏天由德国 Springer 出版。该书基于他本人 2008年在美国爱达荷大学计算机系完成的博士论文“New Approaches to Reliability and Survivability with Survival Analysis, Dynamic Hybrid Fault Models and Extended Evolutionary Game Theory”以及与多位在航空航天系统可靠性、网络可存活性、网络安全领域的知名学者合作发表的20余篇学术论文完成。虽然该书的主要读者对象是工程和软件可靠性、网络可存活性、网络安全领域的科技人员和研究生，这次正式出版的专著中也将其应用范围扩展到了一般的复杂网络（Complex networks）。

“计算生物与医学生态学”实验室计划出版的第三部书稿是一部译著：《生态统计学引论》。原著《A Primer of Ecological Statistics》由哈佛大学教授、著名生态学家 Aaron M. Ellison 和佛蒙特大学教授、生物统计学家 Nicholas J. Gotelli 合著。原著第一版已被翻译成多种语言，是一本难得的生物（生态）统计学教材。此次中文翻译版系最新的2013年版，高等教育出版社已经获得翻译版权，预计将于2015年秋季作为优秀国外教材推介出版。

友情链接

- 灵长类动物模型学术论坛
- 政府采购机票管理网站
- 云南省地方税务局发票查询
- 职工之家—工会
- 中央政府采购网
- 中国政府采购网
- 中科院昆明分院
- 昆明植物研究所
- 西双版纳热带植物园
- 云南医保网
- 国家自然科学基金委员会
- 中华人民共和国科学技术部