

论著

# 应用等位基因特异性PCR 和多重差别PCR 检测肺癌患者CYP1A1 和 GSTM1 的遗传多态性

陈森清 许 林 马国建 吴建中 薛开先

江苏省肿瘤防治研究所 南京 210009

收稿日期 1999-2-28 修回日期 1999-3-12 网络版发布日期:

**摘要** 本文对等位基因特异性PCR(AAllele-specific , AS2) 和多重差别(Multiplex differential , MD2) PCR 技术进行了优化,并用此法联合检测了105 例江苏地区健康人群及68 例肺癌患者CYP1A1、 GSTM1 的等位基因型。结果表明:AS2PCR 及MD-PCR采用的设立双参照扩增体系,可一次同时检测CYP1A1 和GSTM1 的等位基因型。在肺癌患者组中,CYP1A1 的突变型Val/Val 的频率12/ 68 (17. 6 %) 约为健康组9/ 105 (8. 57 %) 的2.105 倍,而GSTM1 纯合缺失的频率,肺癌组为39/ 68 (57.13 %) ,与健康对照组42/ 105 (40 %) 相比,亦有显著增加( P < 0. 05) 。

**关键词** [等位基因特异性PCR](#) [多重差别PCR](#) [遗传多态](#) [肺癌](#)

## IDENTIFICATION OF GENETIC POLYMORPHISM OF CYP1A1 AND GSTM1 IN LUNG CANCER PATIENTS BY USING ALLELE-SPECIFIC PCR AND MULTIPLEX DIFFERENTIAL PCR

Chen Senqing , Xu Lin , Ma Guojian , Wu Jianzhong , Xue Kai xian

Jiangsu Institute of Cancer Research , Nanjing 210009

**Abstract** Allele-specific PCR(AS2PCR) and multiplex differential PCR (MD2PCR) were used to identify the genotypes of CYP1A1 and GSTM1 in 68 lung cancer patients and 105 healthy controls. The results showed that genotypes of CYP1A1 and GSTM1 could be detected simultaneously with AS2PCR and MD2PCR ; The frequency of CYP1A1 Val/ Val in lung cancer patients group was 12/ 68 (17. 6 %) , about 2. 052fold than that in healthy controls 9/ 105 (8. 57 %) , and the frequency of GSTM1 0/ 0 was 39/ 68 (57. 4 %) , remarkably higher compared with 42/ 105 (40 %) in healthy controls ( P < 0. 05) 1

**Keywords** [allele-specific PCR](#) [multiplex differential PCR](#) , [polymorphism](#) [CYP1A1](#) [GSTM1](#)

DOI

通讯作者

### 扩展功能

#### 本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [\[PDF全文\]\(110k\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(0k\)](#)
- ▶ [参考文献](#)

#### 服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [Email Alert](#)

#### 相关信息

- ▶ [本刊中包含“等位基因特异性PCR”的相关文章](#)
- ▶ [本文作者相关文章](#)
- [陈森清许林马国建吴建中薛开先](#)