

李永纲, 刘明旭, 王福生, 金磊, 洪卫国. 汉族人IL-12b和IL-10启动子区基因多态性与HBV感染的相关性. 世界华人消化杂志 2003年 8月;11(8):1139-1143

汉族人IL-12b和IL-10启动子区基因多态性与HBV感染的相关性

李永纲, 刘明旭, 王福生, 金磊, 洪卫国.

100039, 北京市, 中国人民解放军解放军第302医院传染病研究所生物工程系. fswang @public.bta.net.cn

目的: 我国是一个乙型肝炎大国, 乙型肝炎感染及其转归显然有人种、人群差异. 本研究对我国汉族人群中乙型肝炎病毒 (hepatitis virus B, HBV) 感染和发病与白介素-12 p40 (interleukin-12 p40, IL-12b)、白介素-10 (interleukin-10, IL-10) 启动子区基因多态性之间的关系进行了探讨. 方法: 利用聚合酶链反应-限制性内切酶片段长度多态性分析 (restricted enzyme-fragment length polymorphisms, PCR-RFLP) 的方法对非相关人群的健康人群与HBV感染患者 (轻、中度慢性肝炎、重度慢性肝炎) 和HBV感染家系中的HBV携带者、既往HBV感染者、健康人群的IL-12b, IL-10启动子区-540C、-592A ( IL10-5' A, IL12-5' C) 单碱基多态性 (SNP) 进行了分析, 并且对两个突变位点进行了基因测序. 使用SAS统计软件进行统计分析. 结果: IL10-5' A、IL12-5' C在非相关人群中的分布符合Hardy-Weinberg平衡. 非相关人群IL10-5' A、IL12-5' C突变等位基因在HBV患者中的频率近似于健康人群 (IL10-5' A, HBV患者 42.08%, 健康人41.9%,  $P>0.05$ ; IL12-5' C, HBV患者 55.8%, 健康人64.6%,  $P>0.05$ ). IL10-5' A与IL12-5' C基因分布在慢性肝炎 (轻中) 和慢性肝炎 (重) 两组无显著性差异 ( $P>0.05$ ). 提示IL10-5' A, IL12-5' C单碱基多态性 (SNP) 对乙型肝炎病情轻中无影响; HBV感染家系中IL10-5' A, IL12-5' C单碱基多态性在携带者、健康人群以及既往感染者三组间均匀分布, IL12-5' C突变频率与非相关人群相似 (非相关人群-540T 55.3%, 相关人群-540T 55.9%); IL10-5' A突变频率与非相关人群有显著性差异 (非相关人群 -592C 42.0%, 相关人群 -592C 19.5%,  $P<0.01$ ). 结论: IL10-5' A突变比IL12-5' C突变在HBV感染家系中可能起到更重要的作用, 或影响相关人群对HBV的易感性.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

http: //www.wjgnet.com

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司

● 电子杂志  
● 高影响力论文  
● 友情链接  
访问总次数

今日访问

当前在线